

Figure 1A

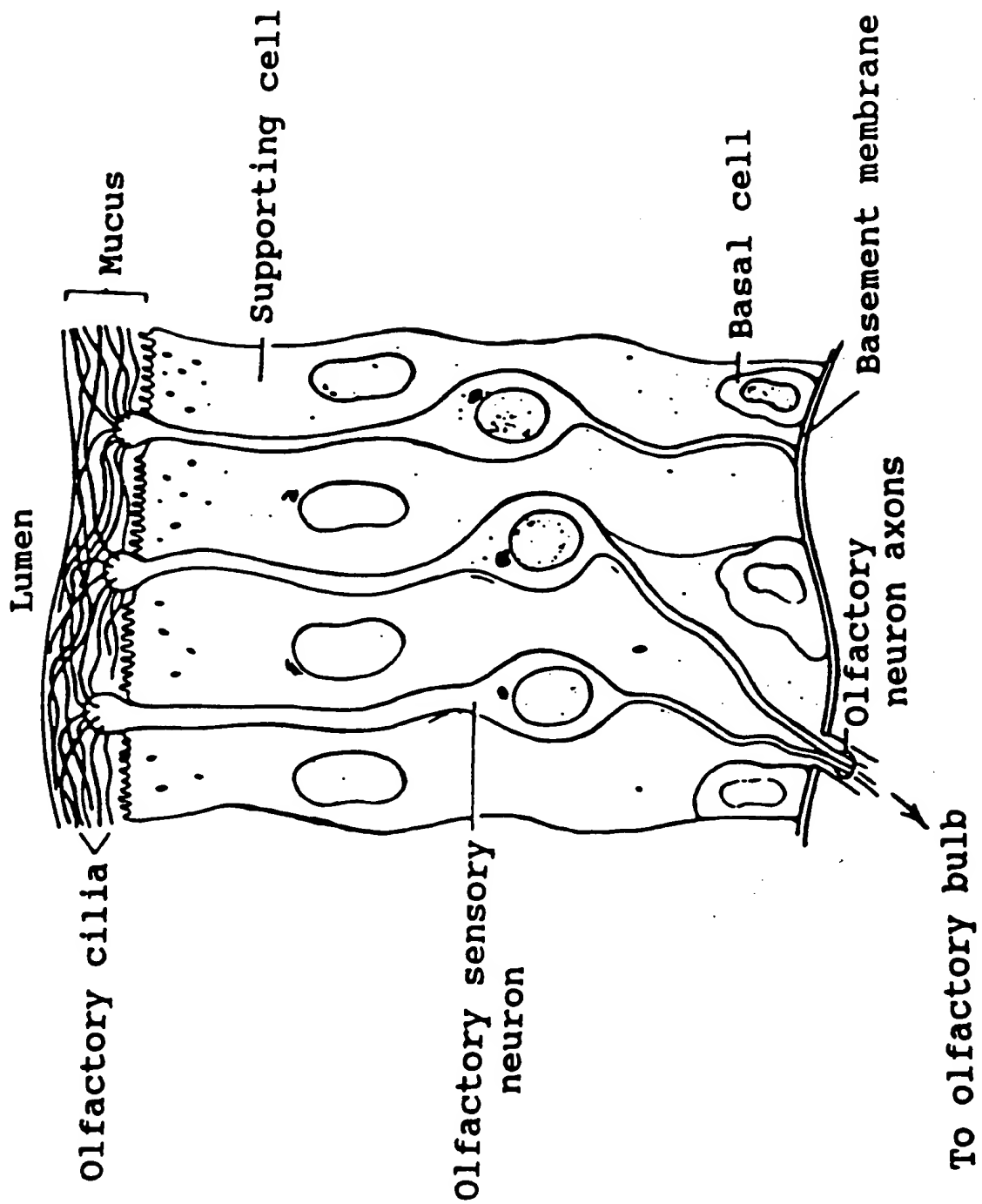
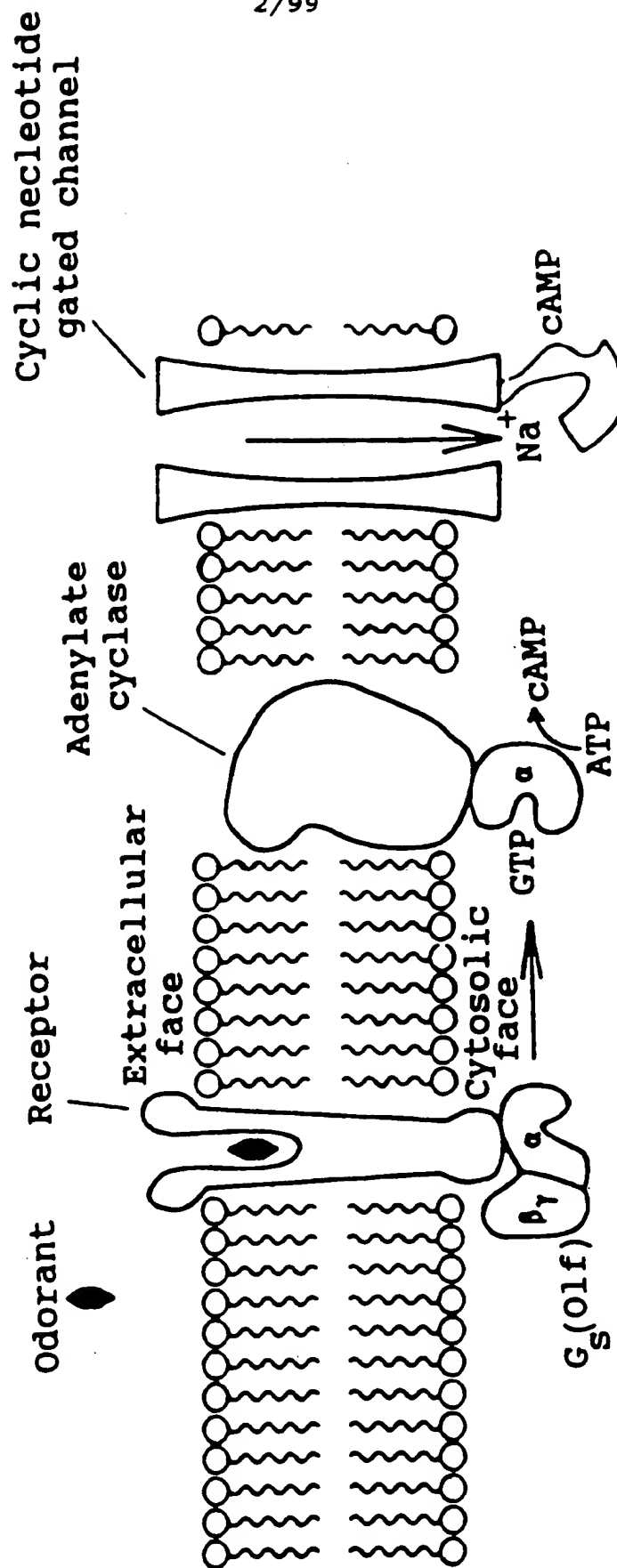
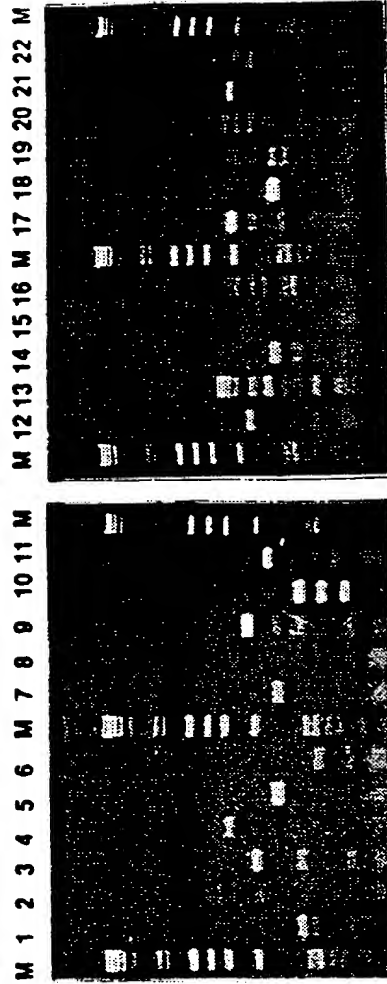
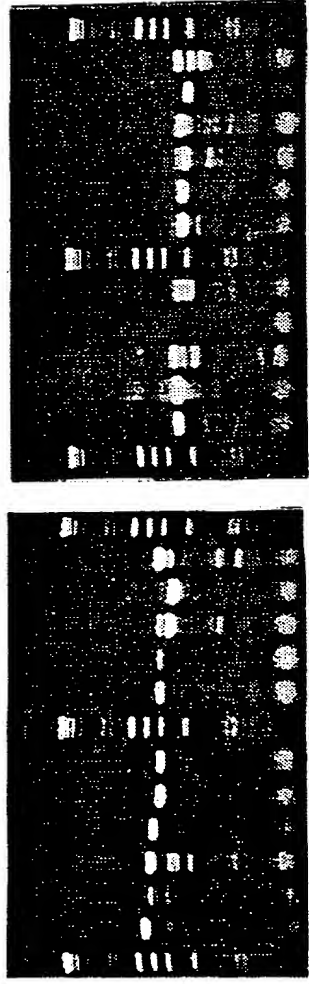


Figure 1B



[illegible]

4/99

Figur 3

OLFACTORY

BRAIN

SPLEEN

5.0 -

2.0 -

105210 0021200

[illegible]

F3			N	D	S	S	N	R	T	R	V	S	E	11
F5			M	S	S	T	N	Q	S	S	V	T	E	11
F6	N	A	W	S	T	G	Q	N	L	S	T	P	G	P
F12			N	E	S	G	N	S	T	R	R	F	S	S
I3				M	N	-	-	N	Q	T	F	I	T	Q
I7			N	E	R	R	N	H	S	G	R	V	S	E
I8				M	N	-	-	N	K	T	V	I	T	H
I9				M	T	R	R	N	Q	T	A	I	S	Q
I14				M	T	G	N	N	Q	T	L	I	L	E
I15				M	T	E	E	N	Q	T	V	I	S	Q

F3	F	L	L	L	G	F	V	E	N	K	D	L	Q	P	25
F5	F	L	L	L	G	L	S	R	Q	P	Q	Q	Q	Q	25
F6	F	I	L	L	G	F	P	G	P	R	S	M	R	I	28
F12	F	F	L	L	G	F	T	E	N	P	Q	L	H	F	26
I3	F	L	L	L	G	L	P	I	P	E	E	H	Q	H	23
I7	F	V	L	L	G	F	P	A	P	A	P	L	R	V	26
I8	F	L	L	L	G	L	P	I	P	P	E	H	Q	Q	23
I9	F	F	L	L	G	L	P	F	P	P	E	Y	Q	H	25
I14	F	L	L	L	G	L	P	I	P	S	E	Y	H	L	25
I15	F	L	L	L	F	L	P	I	P	S	E	H	Q	H	25

	I														
F3	L	I	Y	G	L	F	L	S	N	Y	L	V	T	V	39
F5	L	L	F	L	L	F	L	I	N	Y	L	A	T	V	39
F6	G	L	F	L	L	F	L	V	N	Y	L	L	T	V	42
F12	L	I	F	A	L	F	L	S	N	Y	L	V	T	V	40
I3	L	F	Y	A	L	F	L	V	N	Y	L	T	T	I	37
I7	L	L	F	F	L	S	L	L	X	Y	V	L	V	L	40
I8	L	F	F	A	L	F	L	I	N	Y	L	T	T	F	37
I9	L	F	Y	A	L	F	L	A	N	Y	L	T	T	L	39
I14	L	F	Y	A	L	F	L	A	N	Y	L	T	I	I	29
I15	V	F	Y	A	L	F	L	S	N	Y	L	T	T	V	39

	I	G	N	I	S	I	I	V	A	I	I	S	D	P	
F3	I	G	N	I	S	I	I	V	A	I	I	S	D	P	53
F5	L	G	N	L	L	I	I	L	A	I	G	T	D	S	53
F6	V	G	N	L	A	I	I	S	L	V	G	A	H	R	56
F12	L	G	N	L	L	I	I	M	A	I	I	T	Q	S	54
I3	L	G	N	L	L	I	I	V	L	V	Q	L	D	S	51
I7	T	E	N	M	L	I	I	I	A	I	R	N	H	P	54
I8	L	G	N	L	L	I	V	V	L	V	Q	L	D	S	51
I9	L	G	N	L	I	I	I	I	L	I	L	L	D	S	53
I14	L	G	N	L	L	I	I	V	L	V	R	L	D	S	53
I15	L	G	N	L	I	I	I	I	L	I	H	L	D	S	53

Figur 4C

	<u>II</u>														
F3	C	L	H	T	P	N	Y	F	F	L	S	N	L	S	67
F5	R	L	H	T	P	N	Y	F	F	L	S	N	L	S	67
F6	C	L	Q	T	P	N	Y	F	F	L	C	N	L	S	70
F12	H	L	H	T	P	N	Y	F	F	L	A	N	L	S	68
I3	Q	L	H	T	P	N	Y	L	F	L	S	N	L	S	65
I7	T	L	H	K	P	N	Y	F	F	L	A	N	M	S	68
I8	H	L	H	T	P	N	Y	L	F	L	S	N	L	S	65
I9	H	L	H	T	P	N	Y	L	F	L	S	N	L	S	67
I14	H	L	H	M	P	N	Y	L	F	L	S	N	L	S	67
I15	H	L	H	T	P	N	Y	L	F	L	S	N	L	S	67

	<u>II</u>														
F3	F	V	D	I	C	F	I	S	T	T	V	P	K	M	81
F5	F	V	D	V	C	F	S	S	T	T	V	P	K	V	81
F6	F	L	E	I	W	F	T	T	A	C	V	P	K	T	84
F12	F	V	D	I	C	F	T	S	T	T	I	P	K	M	82
I3	F	S	D	L	C	F	S	S	V	T	M	P	K	L	79
I7	F	L	E	I	W	Y	V	T	V	T	I	P	K	M	82
I8	F	S	D	L	C	F	S	S	V	T	M	L	K	L	79
I9	F	A	D	L	C	F	S	S	V	T	M	P	K	L	67
I14	F	S	D	L	C	F	S	S	V	T	M	P	K	L	67
I15	F	S	D	L	C	F	S	S	V	T	M	P	K	L	67

F0921000-00214260

Figur 4D

F3	L	-	-	-	-	V	N	I	Q	T	Q	N	N	V	91
F5	L	-	-	-	-	A	N	H	I	L	G	S	Q	A	91
F6	L	-	-	-	-	A	T	F	A	P	R	G	G	V	94
F12	L	-	-	-	-	V	N	I	Y	T	Q	S	K	S	92
I3	L	-	-	-	-	Q	N	M	R	S	Q	K	T	S	89
I7	L	A	G	F	I	G	S	K	E	N	H	G	Q	L	96
I8	L	-	-	-	-	Q	N	I	Q	S	Q	V	P	S	89
I9	L	-	-	-	-	Q	N	M	Q	S	Q	V	P	S	91
I14	L	-	-	-	-	Q	N	M	Q	S	Q	V	P	S	91
I15	L	-	-	-	-	Q	N	M	Q	S	Q	V	P	S	91

	<u>III</u>														
F3	I	T	Y	A	G	C	I	T	Q	I	Y	F	F	L	105
F5	I	S	F	S	G	C	L	T	Q	L	Y	F	L	A	105
F6	I	S	L	A	G	C	A	T	Q	M	Y	F	V	F	108
F12	I	T	Y	E	D	C	I	S	Q	M	C	V	F	L	106
I3	I	P	Y	G	G	C	L	A	Q	T	Y	F	F	M	103
I7	I	S	F	E	A	C	M	T	Q	L	Y	F	F	L	110
I8	I	S	Y	A	G	C	L	T	Q	I	F	F	F	L	103
I9	I	P	Y	A	G	C	L	A	Q	I	Y	F	F	L	105
I14	I	S	Y	T	G	C	L	T	Q	L	Y	F	F	M	105
I15	I	P	F	A	G	C	L	T	Q	L	Y	F	Y	L	105

Figur 4E

	<u>III</u>														
F3	L	F	V	E	L	D	N	F	L	L	T	I	N	A	119
F5	V	F	G	N	M	D	N	F	L	L	A	V	N	S	119
F6	S	L	G	C	T	E	Y	F	L	L	A	V	N	A	122
F12	V	F	A	I	L	G	N	F	L	L	A	V	N	A	120
I3	V	F	G	D	M	E	S	F	L	L	V	A	N	A	117
I7	G	L	G	C	T	E	C	V	L	L	A	V	N	A	124
I8	L	F	G	Y	L	G	N	F	L	L	V	A	N	A	117
I9	F	F	G	D	L	G	N	F	L	L	V	A	N	A	119
I14	V	F	G	D	M	E	S	F	L	L	V	V	N	A	119
I15	Y	F	A	D	L	E	S	F	L	L	V	A	<u>N</u>	<u>A</u>	119

	<u>III</u>														
F3	Y	D	R	Y	V	A	I	C	H	P	M	H	Y	T	133
F5	Y	D	R	F	V	A	I	C	H	P	L	H	Y	T	133
F6	Y	D	R	Y	L	A	I	C	L	P	L	R	Y	G	136
F12	Y	D	R	Y	V	A	X	C	H	P	L	C	Y	T	134
I3	Y	D	R	Y	V	A	I	C	F	P	L	H	Y	T	131
I7	Y	D	R	Y	V	A	I	C	H	P	L	H	Y	P	138
I8	Y	D	R	Y	V	A	I	C	F	P	L	H	Y	T	131
I9	Y	D	R	Y	V	A	I	C	F	P	L	H	Y	M	133
I14	Y	D	R	Y	V	A	I	C	F	P	L	R	Y	T	133
I15	Y	D	R	Y	V	A	I	C	F	P	L	H	Y	M	133

105210-0021200

[illegible]

	IV														
F3	S	W	I	V	S	V	L	H	A	L	F	Q	S	L	161
F5	S	W	V	V	A	N	M	N	C	L	L	H	I	L	161
F6	S	W	L	C	G	F	S	A	I	T	V	P	A	T	164
F12	S	W	V	I	S	I	F	H	A	F	I	Q	S	L	162
I3	L	W	M	L	T	T	S	H	A	M	M	H	T	L	159
I7	S	W	A	G	G	F	G	I	S	M	V	K	V	F	166
I8	F	W	I	M	T	S	S	H	A	M	M	H	T	L	159
I9	S	W	V	L	T	T	F	H	A	M	L	H	T	L	161
I14	L	W	M	L	T	M	T	H	A	L	L	H	T	L	161
I15	S	W	V	L	T	T	F	H	A	M	L	H	T	L	161

Figure 4G

F3	M	M	L	A	L	P	F	C	T	H	L	E	I	P	175
F5	L	M	A	R	K	S	F	C	A	D	N	M	I	P	175
F6	L	I	A	R	L	S	F	C	G	S	R	V	I	N	178
F12	I	V	L	Q	L	T	F	C	G	D	V	K	I	P	176
I3	L	A	A	R	L	S	F	C	E	N	N	V	V	L	173
I7	L	I	S	R	L	S	Y	C	G	P	N	T	I	N	180
I8	L	A	A	R	L	S	F	C	E	N	N	V	L	L	173
I9	L	M	A	R	L	S	F	C	E	D	S	V	I	P	175
I14	L	I	A	R	L	S	F	C	E	K	N	V	I	L	175
I15	L	M	A	R	L	S	F	C	A	D	N	M	I	P	175

F3	H	Y	F	C	E	P	N	Q	V	I	Q	L	T	C	189
F5	H	F	F	C	D	G	T	P	L	L	K	L	S	C	189
F6	H	F	F	C	D	I	S	P	W	I	V	L	S	C	192
F12	H	F	F	C	E	L	N	Q	L	S	Q	L	T	C	190
I3	N	F	F	C	D	L	F	V	L	L	K	L	A	C	187
I7	H	F	F	C	D	V	S	P	L	L	N	L	S	C	194
I8	N	F	F	C	D	L	F	V	L	L	K	L	A	C	187
I9	H	Y	F	C	D	M	S	T	L	L	K	V	A	C	189
I14	H	F	F	C	D	I	S	A	L	L	K	L	S	C	189
I15	H	F	F	C	D	I	S	P	L	L	K	L	S	C	189

	<u>V</u>														
F3	S	D	A	F	L	N	D	L	V	I	Y	F	T	L	203
F5	S	D	T	H	L	N	E	L	M	I	L	T	E	G	203
F6	T	D	T	Q	V	V	E	L	V	S	F	G	I	A	206
F12	S	D	N	F	P	S	H	L	I	M	N	L	V	P	204
I3	S	D	T	Y	I	N	E	L	M	I	F	I	M	S	201
I7	T	D	M	S	T	A	E	L	T	D	F	V	L	A	208
I8	S	D	T	Y	V	N	E	L	M	I	H	I	M	G	201
I9	S	D	T	H	D	N	E	L	A	I	F	I	L	G	203
I14	S	D	I	Y	V	N	E	L	M	I	Y	I	L	G	203
I15	S	D	T	H	V	N	E	L	V	I	F	V	M	G	203

	V														
F3	V	L	L	A	T	V	P	L	A	G	I	F	Y	S	217
F5	A	V	V	M	V	T	P	F	V	C	I	L	I	S	217
F6	F	C	V	I	L	G	S	C	G	I	T	L	V	S	220
F12	V	M	L	A	A	I	S	F	S	G	I	L	Y	S	218
I3	T	L	L	I	I	I	P	F	F	L	I	V	M	S	215
I7	I	F	I	L	L	G	P	L	S	V	T	G	A	S	222
I8	V	I	I	I	V	I	P	F	V	L	I	V	I	S	215
I9	G	P	I	V	V	L	P	F	L	L	I	I	V	S	203
I14	G	L	I	I	I	I	P	F	L	L	I	V	M	S	203
I15	G	L	V	I	V	I	P	F	V	L	I	I	V	S	203

Figur 4I

	<u>V</u>														
F3	Y	F	K	I	V	S	S	I	C	A	I	S	S	V	231
F5	Y	I	H	I	T	C	A	V	L	R	V	S	S	P	231
F6	Y	A	Y	I	I	T	T	I	I	K	I	P	S	A	234
F12	Y	F	K	I	V	S	S	I	H	S	I	S	T	V	232
I3	Y	A	R	I	I	S	S	I	L	K	V	P	S	T	229
I7	Y	M	A	I	T	G	A	V	M	R	I	P	S	A	236
I8	Y	A	K	I	I	S	S	I	L	K	V	P	S	T	229
I9	Y	A	R	I	V	S	S	I	F	K	V	P	S	S	231
I14	Y	V	R	I	F	F	S	I	L	K	F	P	S	I	231
I15	Y	A	R	V	V	A	S	I	L	K	V	P	S	V	231

	<u>VI</u>														
F3	H	G	K	Y	K	A	F	S	T	C	A	S	H	L	245
F5	R	G	G	W	K	S	F	S	T	C	G	S	H	L	245
F6	R	G	R	H	R	A	F	S	T	C	S	S	H	L	248
F12	Q	G	K	Y	K	A	F	S	T	C	A	S	H	L	246
I3	Q	G	I	C	K	V	F	S	T	C	G	S	H	L	243
I7	A	G	R	H	K	A	F	S	T	C	A	S	H	L	250
I8	Q	S	I	H	K	V	F	S	T	C	G	S	H	L	243
I9	Q	S	I	H	K	A	F	S	T	C	G	S	H	L	245
I14	Q	D	I	Y	K	V	F	S	T	C	G	S	H	L	245
I15	R	G	I	H	K	I	F	S	T	C	G	S	H	L	245

14/99
Figur 4J

	VI														
F3	S	V	V	S	L	F	Y	C	T	G	L	G	V	Y	259
F5	A	V	V	C	L	F	Y	G	T	V	I	A	V	Y	259
F6	T	V	V	L	I	W	Y	G	S	T	I	F	L	H	262
F12	S	I	V	S	L	F	Y	S	T	G	L	G	V	Y	260
I3	S	V	V	S	L	F	Y	G	T	I	I	G	L	Y	257
I7	T	V	V	I	I	F	Y	A	A	S	I	F	I	Y	264
I8	S	V	V	S	L	F	Y	G	T	I	I	G	L	Y	257
I9	S	V	V	S	L	F	Y	G	T	V	I	G	L	Y	259
I14	S	V	V	T	L	F	Y	G	T	I	F	G	I	Y	259
I15	S	V	V	S	L	F	Y	G	T	I	I	G	L	Y	259

	<u>VI</u>										<u>VII</u>				
F3	L	S	S	A	A	N	N	S	S	Q	A	S	A	T	273
F5	F	N	P	S	S	S	H	L	A	G	R	D	M	A	273
F6	V	R	T	S	V	E	S	S	L	D	L	T	K	A	276
F12	V	S	S	A	V	V	Q	S	S	H	S	A	A	S	274
I3	L	C	P	A	G	N	N	S	T	V	K	E	M	V	271
I7	A	R	P	K	A	L	S	A	F	D	T	N	K	L	278
I8	L	C	P	S	G	D	N	F	S	L	K	G	S	A	271
I9	L	C	P	S	A	N	N	S	T	V	K	E	T	V	273
I14	L	C	P	S	G	N	N	S	T	V	K	E	I	A	273
I15	L	C	P	S	A	N	N	S	T	V	K	E	T	V	273

15/99
Figur 4K

	<u>VII</u>														
F3	A	S	V	M	Y	T	V	V	T	P	M	V	N	P	287
F5	A	A	V	M	Y	A	V	V	T	P	M	L	N	P	287
F6	I	T	V	L	N	T	I	V	T	P	V	L	N	P	290
F12	A	S	V	M	Y	T	V	V	T	P	M	L	N	P	288
I3	M	A	M	M	Y	T	V	V	T	P	M	L	N	P	285
I7	V	S	V	L	Y	A	V	I	V	P	L	F	N	P	292
I8	M	A	M	M	Y	T	V	V	T	P	M	L	N	P	285
I9	M	S	L	M	Y	T	M	V	T	P	M	L	N	P	287
I14	M	A	M	M	Y	T	V	V	T	P	M	L	N	P	287
I15	M	A	M	M	Y	T	V	V	T	<u>P</u>	<u>M</u>	<u>L</u>	<u>N</u>	<u>P</u>	287

	<u>VII</u>														
F3	F	I	Y	S	L	R	N	K	D	V	K	S	V	L	301
F5	F	I	Y	S	L	R	N	S	D	M	K	A	A	L	301
F6	F	I	Y	T	L	R	N	K	D	V	K	E	A	L	304
F12	F	I	Y	S	L	R	N	K	D	V	K	R	A	L	302
I3	F	I	Y	S	L	R	N	R	D	M	K	R	A	L	299
I7	I	I	Y	C	L	R	N	Q	D	V	K	R	A	L	306
I8	F	I	Y	S	L	R	N	R	D	M	K	Q	A	L	299
I9	F	I	Y	S	L	R	N	R	D	I	K	D	A	L	301
I14	F	I	Y	S	L	R	N	R	D	M	K	R	A	L	301
I15	F	I	Y	S	L	R	N	R	D	M	K	E	A	L	301

FOUO FOUO FOUO

F3	K	K	T	L	C	E	E	V	I	R	S	P	P	S	315
F5	R	K	V	L	A	M	R	F	P	S	K	Q	-		313
F6	R	R	T	V	K	G	K	-							311
F12	E	R	L	L	E	G	N	C	K	V	H	H	W	T	316
I3	I	R	V	I	C	S	M	K	I	T	L	-			310
I7	R	R	T	L	H	L	A	Q	D	Q	E	A	N	T	320
I8	I	R	V	T	C	S	K	K	I	S	L	P	W	-	312
I9	E	K	I	M	C	K	K	Q	I	P	S	F	L	-	314
I14	I	R	V	I	C	T	K	K	I	S	L	-			312
I15	I	R	V	L	C	K	K	K	I	T	F	C	L	-	314

F3	L L H F F L V L C H L P C F	329
F5		
F6		
F12	G -	317
I3		
I7	N K G S K I G -	327
I8		
I9		
I14		
I15		

Figur 4M

F3	I	F	C	Y	-
F5					
F6					
F12					
I3					
I7					
I8					
I9					
I14					
I15					

333

項目	1990年	1991年	1992年	1993年	1994年	1995年	1996年	1997年	1998年	1999年	2000年	2001年	2002年	2003年	2004年	2005年	2006年	2007年	2008年	2009年	2010年	2011年	2012年	2013年	2014年	2015年	2016年	2017年	2018年	2019年	2020年	2021年	2022年	2023年	2024年	2025年	2026年	2027年	2028年	2029年	2030年	2031年	2032年	2033年	2034年	2035年	2036年	2037年	2038年	2039年	2040年	2041年	2042年	2043年	2044年	2045年	2046年	2047年	2048年	2049年	2050年	2051年	2052年	2053年	2054年	2055年	2056年	2057年	2058年	2059年	2060年	2061年	2062年	2063年	2064年	2065年	2066年	2067年	2068年	2069年	2070年	2071年	2072年	2073年	2074年	2075年	2076年	2077年	2078年	2079年	2080年	2081年	2082年	2083年	2084年	2085年	2086年	2087年	2088年	2089年	2090年	2091年	2092年	2093年	2094年	2095年	2096年	2097年	2098年	2099年	2100年																																																								
1. 人口	120,000,000	125,000,000	130,000,000	135,000,000	140,000,000	145,000,000	150,000,000	155,000,000	160,000,000	165,000,000	170,000,000	175,000,000	180,000,000	185,000,000	190,000,000	195,000,000	200,000,000	205,000,000	210,000,000	215,000,000	220,000,000	225,000,000	230,000,000	235,000,000	240,000,000	245,000,000	250,000,000	255,000,000	260,000,000	265,000,000	270,000,000	275,000,000	280,000,000	285,000,000	290,000,000	295,000,000	300,000,000	305,000,000	310,000,000	315,000,000	320,000,000	325,000,000	330,000,000	335,000,000	340,000,000	345,000,000	350,000,000	355,000,000	360,000,000	365,000,000	370,000,000	375,000,000	380,000,000	385,000,000	390,000,000	395,000,000	400,000,000	405,000,000	410,000,000	415,000,000	420,000,000	425,000,000	430,000,000	435,000,000	440,000,000	445,000,000	450,000,000	455,000,000	460,000,000	465,000,000	470,000,000	475,000,000	480,000,000	485,000,000	490,000,000	495,000,000	500,000,000	505,000,000	510,000,000	515,000,000	520,000,000	525,000,000	530,000,000	535,000,000	540,000,000	545,000,000	550,000,000	555,000,000	560,000,000	565,000,000	570,000,000	575,000,000	580,000,000	585,000,000	590,000,000	595,000,000	600,000,000	605,000,000	610,000,000	615,000,000	620,000,000	625,000,000	630,000,000	635,000,000	640,000,000	645,000,000	650,000,000	655,000,000	660,000,000	665,000,000	670,000,000	675,000,000	680,000,000	685,000,000	690,000,000	695,000,000	700,000,000	705,000,000	710,000,000	715,000,000	720,000,000	725,000,000	730,000,000	735,000,000	740,000,000	745,000,000	750,000,000	755,000,000	760,000,000	765,000,000	770,000,000	775,000,000	780,000,000	785,000,000	790,000,000	795,000,000	800,000,000	805,000,000	810,000,000	815,000,000	820,000,000	825,000,000	830,000,000	835,000,000	840,000,000	845,000,000	850,000,000	855,000,000	860,000,000	865,000,000	870,000,000	875,000,000	880,000,000	885,000,000	890,000,000	895,000,000	900,000,000	905,000,000	910,000,000	915,000,000	920,000,000	925,000,000	930,000,000	935,000,000	940,000,000	945,000,000	950,000,

Figure 5

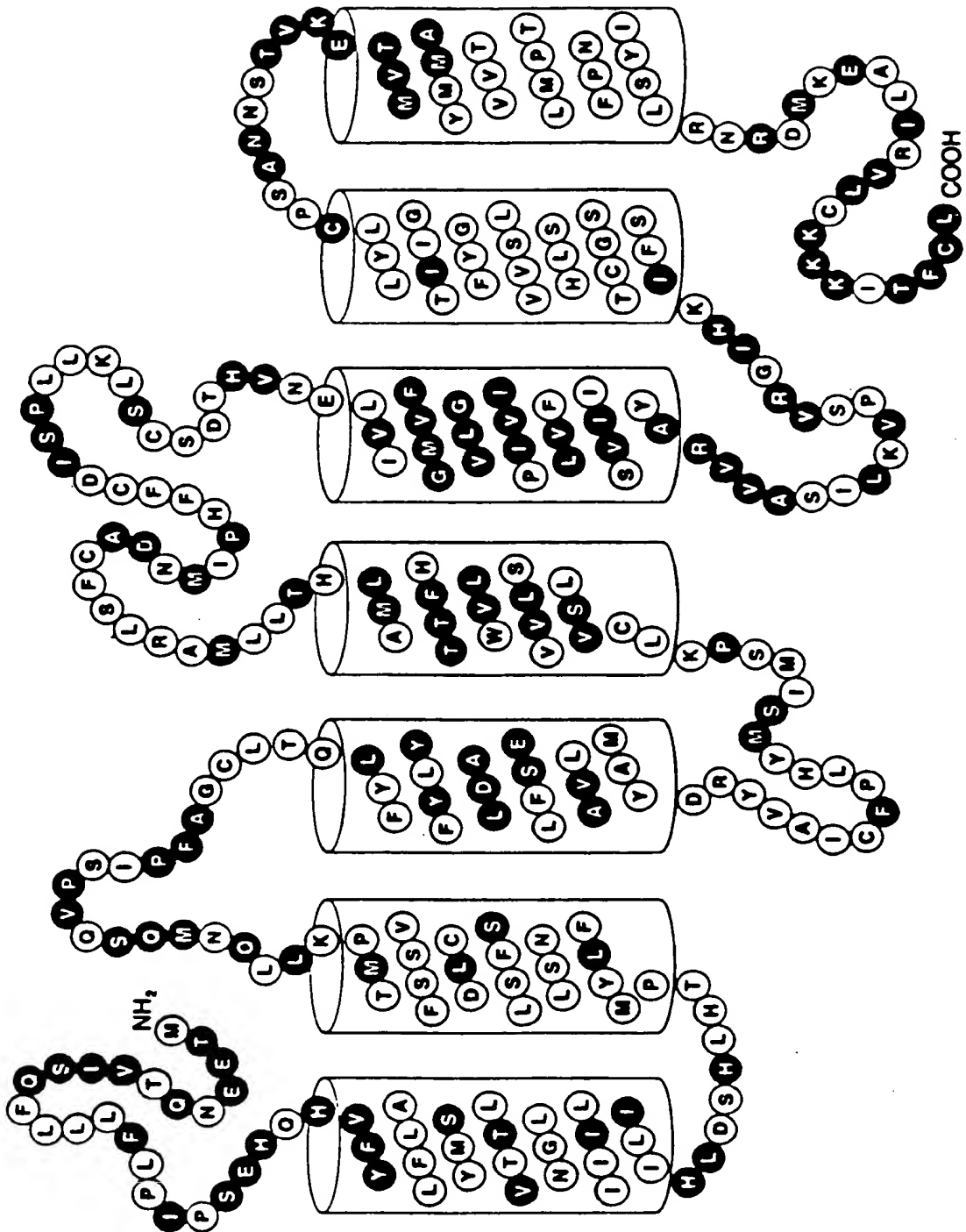


Figure 6A(1)

				V										
F2	R	V	N	E	V	V	I	F	I	V	V	S	L	F
F3	F	L	N	D	L	V	I	Y	F	T	L	V	L	L
F5	H	L	N	E	L	M	I	L	T	E	G	A	V	V
F6	Q	V	V	E	L	V	S	F	G	I	A	F	C	V
F7	H	V	N	E	L	V	I	F	V	M	G	G	I	I
F8	F	P	S	H	L	T	M	H	L	V	P	V	I	L
F12	F	P	S	H	L	I	M	N	L	V	P	V	M	L
F13	F	P	S	H	L	I	M	N	L	V	P	V	M	L
F23	F	L	N	D	V	I	M	Y	F	A	L	V	L	L
F24	H	E	I	E	M	I	I	L	V	L	A	A	F	N
I3	Y	I	N	E	L	M	I	F	I	M	S	T	L	L
I7	S	T	A	E	L	T	D	F	V	L	A	I	F	I
I8	Y	V	N	E	L	M	I	H	I	M	G	V	I	I
I9	H	D	N	E	L	A	I	F	I	L	G	G	P	I
I11	H	L	N	E	L	M	I	L	T	E	G	A	V	V
I12	F	P	S	H	L	I	M	N	L	V	P	V	M	L
I14	Y	V	N	E	L	M	I	Y	I	L	G	G	L	I
I15	H	V	N	E	L	V	I	F	V	M	G	G	L	V

Figur 6A(2)

	V													
F2	L	V	L	P	F	A	L	I	I	M	S	Y	V	R
F3	A	T	V	P	L	A	G	I	F	Y	S	Y	F	K
F5	M	V	T	P	F	V	C	I	L	I	S	Y	I	H
F6	I	H	G	S	C	G	I	T	L	V	S	Y	A	Y
F7	L	V	I	P	F	V	L	I	I	V	S	Y	V	R
F8	A	A	I	S	L	S	G	I	L	Y	S	Y	F	K
F12	A	A	I	S	F	S	G	I	L	Y	S	Y	F	K
F13	A	A	I	S	F	S	G	I	L	Y	S	Y	F	K
F23	A	V	V	P	L	L	G	I	L	Y	S	Y	S	K
F24	L	I	S	S	L	L	V	V	L	V	S	Y	L	F
I3	I	I	I	P	F	F	L	I	V	M	S	Y	A	R
I7	L	L	G	P	L	S	V	T	G	A	S	Y	M	A
I8	I	V	I	P	F	V	L	I	V	I	S	Y	A	K
I9	V	V	L	P	F	L	L	I	I	V	S	Y	A	R
I11	M	V	T	P	F	V	C	I	L	I	S	Y	I	H
I12	G	A	I	S	L	S	G	I	L	Y	S	Y	F	K
I14	I	I	I	P	F	L	L	I	V	M	S	Y	V	R
I15	I	V	I	P	F	V	L	I	I	V	S	Y	A	R

F2	I	V	S	S	I	L	K	V	P	S	S	Q	G	I
F3	I	V	S	S	I	C	A	I	S	S	V	H	G	K
F5	I	T	C	A	V	L	R	V	S	S	P	R	G	G
F6	I	I	T	T	I	I	K	I	P	S	A	R	G	R
F7	I	V	S	S	I	L	K	V	P	S	A	R	G	I
F8	I	V	S	S	I	R	S	M	S	S	V	Q	G	K
F12	I	V	S	S	I	H	S	I	S	T	V	Q	G	K
F13	I	V	S	S	I	R	S	V	S	S	V	K	G	K
F23	I	V	S	S	I	R	A	I	S	T	V	Q	G	K
F24	I	L	I	A	I	L	R	M	N	S	A	E	G	R
I3	I	I	S	S	I	L	K	V	P	S	T	Q	G	I
I7	I	T	G	A	V	M	R	I	P	S	A	A	G	R
I8	I	I	S	S	I	L	K	V	P	S	T	Q	S	I
I9	I	V	S	S	I	F	K	V	P	S	S	Q	S	I
I11	I	T	W	A	V	L	R	V	S	S	P	R	G	G
I12	I	V	S	S	V	R	S	I	S	S	V	Q	G	K
I14	I	F	F	S	I	L	K	F	P	S	I	Z	D	I
I15	V	V	A	S	I	L	K	V	P	S	V	R	G	I

Figure 6A(4)

F2	Y	K
F3	Y	K
F5	W	K
F6	H	R
F7	R	K
F8	Y	K
F12	Y	K
F13	Y	K
F23	Y	K
F24	R	K
I3	C	K
I7	H	K
I8	H	K
I9	H	K
I11	W	K
I12	H	K
I14	Y	K
I15	H	K

F0074000 F14000

Figure 6B

	<u>V</u>													
F12	F	P	S	H	L	I	N	N	L	V	P	V	M	L
F13	F	P	S	H	L	I	N	N	L	V	P	V	M	L
F8	F	P	S	H	L	T	M	H	L	V	P	V	I	L
I12	F	P	S	H	L	I	N	N	L	V	P	V	M	L
F23	F	L	N	D	V	I	N	Y	F	A	L	V	L	L
F3	F	L	N	D	L	V	I	Y	F	T	L	V	L	L

	V																
F12	A	A	I	S	F	S	G	I	L	Y	S	Y	F	K			
F13	A	A	I	S	F	S	G	I	L	Y	S	Y	F	K			
F8	A	A	I	S	L	S	G	I	L	Y	S	Y	F	K			
I12	G	A	I	S	L	S	G	I	L	Y	S	Y	F	K			
F23	A	V	V	P	L	L	G	I	L	Y	S	Y	S	K			
F3	A	T	V	P	L	A	G	I	F	Y	S	Y	F	K			

Figure 6B (Continued)

F12	Y	K
F13	Y	K
F8	Y	K
I12	H	K
F23	Y	K
F3	Y	K

Figure 6C

				V									
F7	H	V	N	E	L	V	I	F	V	M	G	G	I
I15	H	V	N	E	L	V	I	F	V	M	G	G	L
I3	Y	I	N	E	L	M	I	F	I	N	S	T	L
I8	Y	V	N	E	L	M	I	H	I	N	G	V	I
I9	H	D	N	E	L	A	I	F	I	L	G	G	P
I14	Y	V	N	E	L	M	I	Y	I	L	G	G	L
				V									
F7	L	V	I	P	F	V	L	I	I	V	S	Y	V
I15	I	V	I	P	F	V	L	I	I	V	S	Y	A
I3	I	I	I	P	F	F	L	I	V	M	S	Y	A
I8	I	V	I	P	F	V	L	I	V	I	S	Y	A
I9	V	V	L	P	F	L	L	I	I	V	S	Y	A
I14	I	I	I	P	F	L	L	I	V	M	S	Y	V

Figure 6C (Continued)

F7	I	V	S	S	I	L	K	V	P	S	A	R	G	I
I15	V	V	A	S	I	L	K	V	P	S	V	R	G	I
I3	I	I	S	S	I	L	K	V	P	S	T	Q	G	I
I8	I	I	S	S	I	L	K	V	P	S	T	Q	S	I
I9	I	V	S	S	I	F	K	V	P	S	S	Q	S	I
I14	I	F	F	S	I	L	K	F	P	S	I	Q	D	I

F7	R	K
I15	H	K
I3	C	K
I8	H	K
I9	H	K
I14	Y	K

1
2
3
4
5
6
7
8
9
10
11
12
13
14
15
16
17
18
19
20
21
22
23
24
25
26
27
28
29
30
31
32
33
34
35
36
37
38
39
40
41
42
43
44
45
46
47
48
49
50
51
52
53
54
55
56
57
58
59
60
61
62
63
64
65
66
67
68
69
70
71
72
73
74
75
76
77
78
79
80
81
82
83
84
85
86
87
88
89
90
91
92
93
94
95
96
97
98
99
100

Figur 6D

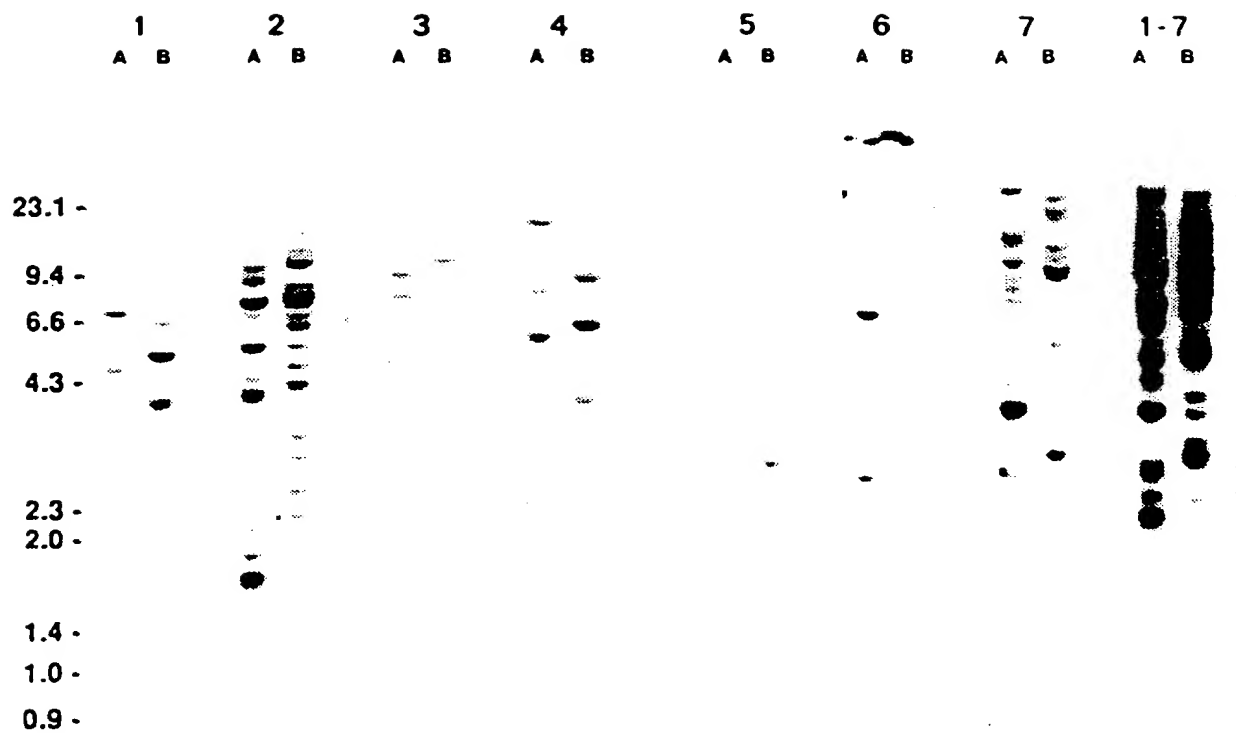
				<u>V</u>									
F5	H	L	N	E	L	M	I	L	T	E	G	A	V
I11	H	L	N	E	L	M	I	L	T	E	G	A	V

	V	N	V	T	P	F	V	C	I	L	I	S	Y	I	H
F5		N	V	T	P	F	V	C	I	L	I	S	Y	I	H
I11		N	V	T	P	F	V	C	I	L	I	S	Y	I	H

F5 I T C A V L R V S S P R G G
I11 I T W A V L R V S S P R G G

F5 W K
I11 W K

Figur 7



29/99

Figure 8

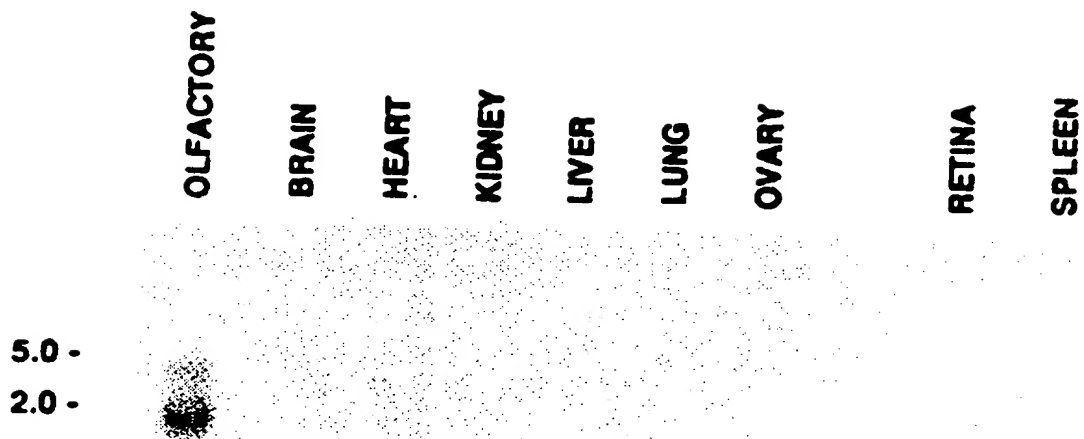


Figure 9A Translated sequence of F3T.D1S

10	20	30	40	50	60
ATG GAC TCA AGC AAC AGG ACA AGA CTT TCA GAA TTT CTT CTT GCA TTT GTA GAA AAC					
M D S S N R T R V S S E F L L L L C G F V E N					
70	80	90	100	110	120
AAA GAC CTA CAA CCC CTT ATT TAT GGT CTT TTT CTC TCT ATG TAC CTG GTT ACT GTC ATT					
K D L Q P L I Y G L F L S M Y L V T V I					
130	140	150	160	170	180
GGA AAC ATA TCC ATT ATT GTG GCT ATC ATT TCA GAT CCC TGT CTG CAC ACC CCC ATG TAT					
G N I S I I V A I I S D P C L H T P M Y					
190	200	210	220	230	240
TTC TTC CTC TCT AAC CTG TCC TTT GTG GAC ATC TGT TTC ATT TCA ACC ACT GTT CCA AAC					
F F L S N L S F V D I C F I S T T V P K					
250	260	270	280	290	300
ATG TTA CTG AAC ATC CAG ACC CAA AAC AAT CTC ATC ACC TAT GCA GGA TGC ATT ACC CAG					
M L V N I Q T Q N N V I T Y A G C I T Q					

Figure 9B

310	*	320	*	330	*	340	*	350	*	360	*
ATA TAC TTT TTC TTG CTC TTT GTA GAA TTG GAC AAC TTC TTG CTG ACT ATC ATG GCC TAT											
I Y F F L L F V E L D N F L L T I M A Y											
370	*	380	*	390	*	400	*	410	*	420	*
GAC CGT TAC GTA GCC ATC TGT CAC CCC ATG CAC TAC ACA GTT ATC ATG AAC TAC AAG CTC											
D R Y V A I C H P M H Y T V I M N Y K L											
430	*	440	*	450	*	460	*	470	*	480	*
TGT GGA TTT CTG GTT CTG GTA TCT TGG ATT GTA AGT GTT CTG CAT GCC TTG TTT CAA ACC											
C G F L V L V S S W I V S V L H A L F Q S											
490	*	500	*	510	*	520	*	530	*	540	*
TTC ATG ATG TTG GCG CTG CCC TTC TGC ACA CAT CTG GAA ATC CCA CAC TAC TTC TGT GAA											
L M M L A L P F C T H L E I P H Y F C E											
550	*	560	*	570	*	580	*	590	*	600	*
CCT AAT CAG GTG ATT CAA CTC ACC TGT TCT GAT GCA TTT CTT AAT GAT CTT CTG ATA TAT											
P N Q V I Q L T C S D A F L N D L V I Y											
610		620		630		640		650		660	

31/99

Figure 10A Translated sequence of F5T.D1S

10	20	30	40	50	60
* ATG AGC AGC ACC AAC CAG TCC AGT CTC ACC GAG TTC CTC CTC CTG GGA CTC TCC AGG CAG M S S T N Q S S V T E F L L L G L S R Q	* 70	* 80	* 90	* 100	* 110
* CCC CAG CAG CAG CTC CTC TTC CTC TTC CTC ATC ATG TAC CTG GCC ACT CTC CTC P Q Q Q Q L L F L L F L I M Y L A T V L	* 130	* 140	* 150	* 160	* 170
* GGA AAC CTG CTC ATC ATC CTC GCT ATT GCC ACA GAC TCC CGC CTG CAC ACC CCC ATG TAC G N L L I I L A I G T D S R L H T P M Y	* 190	* 200	* 210	* 220	* 230
* TTC TTC CTC AGT AAC CTG TCC TTT GTG GAT CTC TGC TTC TCC TCT ACC ACT CTC CCT AAA F F L S N L S F F V D V C F S S S T T V P K	* 250	* 260	* 270	* 280	* 290
* CTT CTC GCC AAC CAT ATA CTT GGG AGT CAG GCC ATT TCC TTC TCT GGG TGT CTC ACC CAG V L A N H I L L G C S Q A I S F S G C L T Q					

Figure 10C

* ACA GAG GGA GCT GTG CTC ATG GTC ACC CCA TTT GTC TGC ATC CTC ATC TCC TAC ATC CAC	* T E G A V M V T P F V C I L I S Y I H	* 700	* 710	* 720
* ATC ACC TGT GCT CTC AGA GTC TCA TCC CCC AGG GGA GGA TGG AAA TCC TTC TCC ACC	* I T C A V L R V S S P R G G W K S F S T	* 690	* 700	* 710
* TGT GGC TCC CAC CTG GCT GTG CTC TGC TCC TTC TAT GGC ACC GTC ATC GCT GTG TAT TTC	* C G S H L A V V C L F Y G T V I A V Y F	* 750	* 760	* 770
* AAC CCA TCA TCC TCT CAC TTA GCT GGG AGG GAC ATG CCA GCT GCA CTG ATG TAT GCA GTC	* N P S S S H L A C R D M A A A V M Y A V	* 800	* 810	* 820
PRONUC/TRA OPTION				
36/99				

Figure 10D

850	860	870	880	890	900
* GTG ACC CCA ATG CTG AAC CCT TTC ATC TAT AGC CTG AGG AAC ACC GAC ATG AAA GCA GCT	* * * * *				*
V T P M L N P F I Y S L R N S D M K A A					
910	920	930	940		
* TTA AGG AAA GTG CTC GCC ATG AGA TTT CCA TCT AAG CAG TAA	* * * *				
L R K V L A M R F P S K Q -					

37/99

Translation begun with base no. 62

Translated to base no.1003

Sequence printed from base no. 62 to base no.1003

Sequence numbered beginning with base no. 62

Figure 11A

10	20	30	40	50	60
* ATG GCT TGG AGT ACT GGC CAG AAC CTG TCC ACA CCA GGA CCA TTC ATC TTG CTG GGC TTC M A W S T G Q N L S T P G P F I L L G F	* 80	* 90	* 100	* 110	* 120
70	80	90	100	110	120
* CCA GGG CCA AGG AGC ATG CGC ATT GGG CTC TTC CTG CTT TTC CTG ATG TAT CTG CTT P G P R S M R I G L F L L F L V M Y L L	* 140	* 150	* 160	* 170	* 180
130	140	150	160	170	180
* ACG GTA GTT GGA AAC CTA GCC ATC ATC TCC CTG GTA GGT GCC CAC AGA TGC CTA CAG ACA T V V G G N L A I I S L V G A H R C L Q T	* 200	* 210	* 220	* 230	* 240
190	200	210	220	230	240
* CCC ATG TAC TTC TTC CTC TGC AAC CTC TCC TTC CTG GAG ATC TGG TTC ACC ACA GCC TGC P M Y F F L C N L S F L E I W F T T A C	* 260	* 270	* 280	* 290	* 300
250	260	270	280	290	300
* GTA CCC AAG ACC CTG GCC ACA TTT GCG CCT CGG GGT GGA GTC ATT TCC TTG GCT GGC TGT V P K T L A T F A P R G G V I S L A G C	* 260	* 270	* 280	* 290	* 300

310	*	320	*	330	*	340	*	350	*	360	*
GCC ACA CAG ATG TAC TTT GTC TTT TCT TTG GGC TGT ACC GAG TAC TTC CTG CTG GCT CTG	A T Q M Y F V	320	*	330	*	340	*	350	*	360	*
370	*	380	*	390	*	400	*	410	*	420	*
ATG GCT TAT GAC CGC TAC CTG GGC ATC TGC CTG CCA CTG CGC TAT GGT GGC ATC ATG ACT	M A Y D R Y L A I C L P L R Y C G I M T	380	*	390	*	400	*	410	*	420	*
430	*	440	*	450	*	460	*	470	*	480	*
CCT GGG CTG GCG ATG CGG TTG GGC CTG GGA TCC TGG CTG TGT GGT TTT TCT GCA ATC ACA	P G L A A M R L L A L G S W L C G F S A I T	440	*	450	*	460	*	470	*	480	*
490	*	500	*	510	*	520	*	530	*	540	*
GTT CCT GCT ACC CTC ATT GCC CGC CTC TCT TTC TGT GGC TCA CGT GTC ATC AAC CAC TTC	V P A T L I A R L L S F C G S R V I N H F	500	*	510	*	520	*	530	*	540	*
550	*	560	*	570	*	580	*	590	*	600	*
TTC TGT GAC ATT TCG CCC TGG ATA GTG CTT TCC TGC ACC GAC ACG CAG CTG GTG GAA CTC	F C D I S P W I V L S C T D T Q V V E L	560	*	570	*	580	*	590	*	600	*
610		620		630		640		650		660	

Figure 11D

850	*		860	*		870	*	880	*	890	*	900	*						
AAC	ACC	ATT	GTC	ACA	CCT	GTC	CTG	AAC	CCT	TTC	ATA	TAT	ACT	CTG	AGG	AAC	AAG	GAT	CTC
N	T	I	V	T	P	V	L	N	P	F	I	Y	T	L	R	N	K	D	V
910	*		920	*		930	*												
AAG	GAA	GCT	CTG	CGC	AGG	ACG	CTG	AAG	CGG	AAG	TGA								
K	E	A	L	R	R	T	V	K	G	K	-								

Translation begun with base no. 75
 Translated to base no.1010
 S quence printed from base no. 75 to base no.1010
 Sequence numbered beginning with base no. 75

Figure 12A Translated sequence of F12T.D1S

10	20	30	40	50	60
* ATG GAA TCA GGG AAC AGC ACA AGA AGA TTT TCA AGT TTT TTT CTT CTT GGA TTT ACA GAA	* 20	* 30	* 40	* 50	* 60
M E S G N S T R R F S S F F L L G F T E					
70	80	90	100	110	120
* AAC CCA CAA CTT CAC TTC CTC ATT TTT GCA CTA TTC CTG TCC ATG TAC CTG GTA ACA CTC	* 80	* 90	* 100	* 110	* 120
N P Q L H F L I F A L F L S M Y L V T V					
130	140	150	160	170	180
* CTT GGG AAC CTG CTT ATC ATT ATG GCC ATC ATC ACA CAG TCT CAT TTG CAT ACA CCC ATG	* 140	* 150	* 160	* 170	* 180
L G N L L I I M A I I T Q S H L H T P M					
190	200	210	220	230	240
* TAC TTT TTC CTT GCT AAC CTA TCC TTT GTG GAC ATC TGT TTC ACC TCC ACC ACC ATC CCA	* 200	* 210	* 220	* 230	* 240
Y F F L A N L S F V D I C F T S T I P					
250	260	270	280	290	300
* TAC TTT TTC CTT GCT AAC CTA TCC TTT GTG GAC ATC TGT TTC ACC TCC ACC ACC ATC CCA	* 260	* 270	* 280	* 290	* 300
Y F F L A N L S F V D I C F T S T I P					

Figure 12B

AAG	ATG	TTG	GTA	AAT	ATA	TAC	ACC	CAG	AGC	AAG	AGC	ATC	ACC	TAT	GAA	GAC	TGT	ATT	AGC
K	M	L	V	N	I	Y	T	Q	S	K	S	I	T	Y	E	D	C	I	S
310	*	320	*	330	*	340	*	350	*	360	*								
CAG	ATG	TGT	GTC	TTT	TTG	GTT	TTT	GCA	GAA	TTG	GGC	AAC	TTT	CTC	CTG	GCT	GTG	ATG	GCC
Q	M	C	V	F	L	V	F	A	E	L	G	N	F	L	L	A	V	M	A
370	*	380	*	390	*	400	*	410	*	420	*								
TAT	GAC	CGA	TAT	GTG	GCT	A-C	TGT	CAC	CCA	CTG	TGT	TAC	ACA	GTC	ATT	GTG	AAC	CAC	CGG
Y	D	R	Y	V	A	X	C	H	P	L	C	Y	T	V	I	V	N	H	R
430	*	440	*	450	*	460	*	470	*	480	*								
CTC	TGT	ATC	CTG	CTT	CTG	CTG	TCC	TGG	GTT	ATC	AGC	ATT	TTC	CAT	GCC	TTC	ATA	CAG	
L	C	I	L	L	L	L	S	W	V	I	S	I	F	H	A	F	I	Q	
490	*	500	*	510	*	520	*	530	*	540	*								
AGC	TTA	ATT	GTG	CTA	CAG	TTG	ACC	TTC	TGT	GGA	GAT	GTG	AAA	ATC	CCT	CAC	TTC	TTC	TGT
S	L	I	V	L	Q	L	T	F	C	C	D	V	K	I	P	H	F	F	C
550	*	560	*	570	*	580	*	590	*	600	*								
GAA	CTT	AAT	CAG	CTG	TCC	CAA	CTC	ACC	TGT	TCA	GAC	AAC	TTT	CCA	AGT	CAC	CTC	ATA	ATG
E	L	N	Q	L	S	Q	L	T	C	S	D	N	F	P	S	H	L	I	M

Figure 12C

610	620	630	640	650	660
* AAT CTT GTA CCT GTT ATG TTG GCA GCC ATT TCC TTC AGT GGC ATC CTT TAC TCT TAT TTC	* N L V P V M L A A I S F S G I L Y S Y F	* 680	* 700	* 710	* 720
* AAG ATA GTA TCC TCC ATA CAT TCT ATC TCC ACA GTT CAG GGC AAG TAC AAG GCA TTT TCT	* K I V S S I H S I S T V Q G K Y K A F S	* 730	* 750	* 770	* 780
* ACT TGT GCC TCT CAC CTT TCC ATT GTC TCC TTA TTT TAT AGT ACA GGC CTC GGA GTG TAC	* T C A S H L S I V S L F Y S T G L G V Y	* 790	* 810	* 830	* 840
* GTC AGT TCT GCT GTG GTC CAA AGC TCA CAT TCT GCT GCA AGT GCT TCG GTC ATG TAT ACT	* PRONUC/TRA OPTION				
V S S A V V Q S S H S A A S A S V M Y T					

850	860	870	880	890	900
* CTG GTC ACC CCC ATG CTG AAC CCC TTC ATT TAT AGT CTA AGG CTA AAT AAA GAT GTG AAG AGA	* V V T P M L N P F I Y S L R N K D V K R	* 890	* 900	* 910	* 920
910	920	930	940	950	
* GCT CTG GAA AGA CTG TTA GAA GGA AAC TGT AAA GTG CAT CAT TGG ACT GGA TGA	* A L E R L L E G N C K V H H T G -	* 950	* 960	* 970	* 980

Translation begun with base no. 173

Translated to base no.1126

Sequence printed from base no. 173 to base no. 1126

Sequence numbered beginning with base no. 173

Figure 13A Translated sequence of I3T.D1S

10	20	30	40	50	60
*	*	*	*	*	*
ATG AAC AAT CAA ACT TTC ATC ACC CAA TTC CTT CTC CTG GGA CTG CCC ATC CCT GAA GAA					
M N N Q T F I T Q F L L L G L P I P E E					
70	80	90	100	110	120
*	*	*	*	*	*
CAT CAG CAC CTG TTC TAT GCC TTG TTC CTG GTC ATG TAC CTC ACC ACC ATC TTG GGA AAC					
H Q H L F Y A L F L V M Y L T T I L G N					
130	140	150	160	170	180
*	*	*	*	*	*
TTG CTA ATC ATT GTA CTT GTT CAA CTG GAC TCC CAG CTC CAC ACA CCT ATG TAT TTG TTT					
L L I I V L V Q L D S Q L H T P M Y L F					
190	200	210	220	230	240
*	*	*	*	*	*
CTC AGC AAT TTG TCT TTC TCT GAT CTA TGT TTT TCC TCT GTC ACA ATG CCC AAG CTG CTC					
L S N L S F S D L C F S S V T M P K L L					
250	260	270	280	290	300
*	*	*	*	*	*
CAG AAC ATG AGG AGC CAG GAC ACA TCC ATT CCC TAT GGA GCC TGC CTG GCA CAA ACA TAC					
Q N M R S Q D T S I P Y G C L A Q T Y					

Figure 13C

[illegible]

Figure 14B

310	*	320	*	330	*	340	*	350	*	360	*
GCA TGC ATG ACA CAA CTC TAC TTT TTC CTG GGC TTG GGT TGC ACA GAG TGT GTC CTT CTT											
A C M T Q L Y F F L G L G C T E C V L L											
370	*	380	*	390	*	400	*	410	*	420	*
GCT GTG ATG GCC TAT GAC CGC TAT GTG GCT ATC TGT CAT CCA CTC CAC TAC CCC GTC ATT											
A V M A Y D R Y V A I C H P L H Y P V I											
430	*	440	*	450	*	460	*	470	*	480	*
GTC AGT AGC CGG CTA TGT GTG CAG ATG GCA GCT GGA TCC TGG GCT GCA GGT TTT GGT ATC											
V S S R L C V Q M A A G S W A C G F G I											
490	*	500	*	510	*	520	*	530	*	540	*
TCC ATG GTT AAA GTT TTC CTT ATT TCT CGC CTG TCT TAC TGT GGC CCC AAC ACC ATC AAC											
S M V K V F L I S R L S Y C G P N T I N											
550	*	560	*	570	*	580	*	590	*	600	*
CAC TTT TTC TGT GAT GTG TCT CCA TTG CTC AAC CTG TCA TGC ACT GAC ATG TCC ACA GCA											
H F F C D V S P L L N L S C T D M S T A											

Figure 14C

610	*	620	*	630	*	640	*	650	*	660	*
GAG CTT ACA GAC TTT GTC CTG GCC ATT TTT ATT CTG CTG GGA CCG CTC TCT GTC ACT GGC											
E L T D F V L A I F I L L C P L S V T C											
670	*	680	*	690	*	700	*	710	*	720	*
GCA TCC TAC ATG GCC ATC ACA GGT GCT GTG ATG CGC ATC CCC TCA GCT GCT GGC CGC CAT											
A S Y M A I T G A V M R I P S A A G R H											
730	*	740	*	750	*	760	*	770	*	780	*
AAA GCC TTT TCA ACC TGT GCC TCC CAC CTC ACT GTT GTG ATC ATC TTC TAT GCA GCC ACT											
K A F S T C A A S H L T V V I I F Y A A S											
790	*	800	*	810	*	820	*	830	*	840	*
ATT TTC ATC TAT GCC AGG CCT AAG GCA CTC TCA GCT TTT GAC ACC AAC AAG CTG GTC TCT											
I F I Y A R P K A L S A F D T N K L V S											
850	*	860	*	870	*	880	*	890	*	900	*
GTA CTC TAC GCT GTC ATT GTA CCG TTG TTC AAT CCC ATC ATC TAC TGC TTG CGC AAC CAA											
PRONUC/TRA											
OPTION											
V L Y A V I V P L F N P I I Y C L R N Q											

Figure 14D

910	*	920	*	930	*	940	*	950	*	960	*
GAT GTC AAA AGA GCG CTA CGT CGC ACG CTG CAC CTG GCC CAG CAG CAG GCC AAT ACC											
D V K R A L R R T L H L A Q D Q E A N T											
970	*	980	*								
AAC AAA GCG AGC AAA ATT GGT TAG											
N K G S K I G -											

Translation begun with base no. 119
 Translated to base no.1102
 Sequence printed from base no. 119 to base no.1102
 Sequence numbered beginning with base no. 119

Figure 15A Translated sequence of I8T.D1S

10	20	30	40	50	60
* ATG AAC AAC AAA ACT GTC ATC ACC CAT TTC CTC CTC GGA TTG CCC ATC CCC CCA GAG M N N K T V I T H F L L L G L P I P P E	* 70	* 80	* 90	* 100	* 110
* CAC CAG CAA CTG TTC TTT GCC CTG TTC CTG ATC ATG TAC CTC ACC ACC TTT CTG GGA AAC H Q Q L F F A L F L I M Y L T T F L G N	* 130	* 140	* 150	* 160	* 170
* CTG CTA ATT GTT GTC CTT GTT CAA CTG GAC TCT CAT CTC CAC ACA CCC ATG TAC TTG TTT L L I V V L V Q L D S H L H T P M Y L F	* 190	* 200	* 210	* 220	* 230
* CTC AGC AAC TTG TCC TTC TCT GAT CTC TCC TTT TCC TCT GTT ACA ATG CTG AAA TTG CTC L S N L S F S D L L C F S S V T M L K L L	* 250	* 260	* 270	* 280	* 290
* CAA AAT ATA CAG AGC CAA GTA CCA TCT ATA TCC TAT GCA GGA TGC CTG ACA CAG ATA TTC Q N I Q S S Q V P S I S Y A G C L T Q I F					

Figure 15B

310 * 320 * 330 * 340 * 350 * 360 *

TTC TTT TTG TTG TTT GGC TAC CTT GGC AAT TTC CTT CTT GTA GCC ATG GCC TAT GAC CGC

F L L F G Y L G N F L L V A M A Y D R

370 * 380 * 390 * 400 * 410 * 420 *

TAT GTG GCC ATC TGC CTT TTC CTT CAT TAT ACC AAC ATC ATG AGC CAT AAG CTC TGT ACT

Y V A I C F P L H Y T N I M S H K L C T

430 * 440 * 450 * 460 * 470 * 480 *

TGT CTC CTG CTG GTA TTT TGG ATA ATG ACA TCA TCT CAT GCC ATG ATG CAC ACC CTG CTT

C L L L V F W I M T S S H A M M H T L L

490 * 500 * 510 * 520 * 530 * 540 *

GCA GCA AGA TTG TCT TTT TGT GAG AAC AAT GTA CTC CTC TCT AAC TTT TTC TGT GAC CTG TTT

A A R L S F C E N N V L L L N F F C D L F

550 * 560 * 570 * 580 * 590 * 600 *

GTT CTC CTA AAG TTG GCC TGC TCA GAC ACT TAT GTT AAT GAG TTG ATG ATA CAT ATC ATG

V L L K L A C S D T Y V N E L M I H I M

610 620 630 640 650 660

910	*	920	*	930	*	9
AGA GTT ACC TGT AGC AAG AAA ATC TCT CTG CCA TGG TAG						
R V T C S K K I S L P W -						

Translation begun with base no. 57
Translated to base no. 995
Sequence printed from base no. 57 to base no. 995
Sequence numbered beginning with base no. 57

Figure 16B

TTG TTG CAG AAC ATG CAG AGC CAA GTT CCA TCC ATC CCC TAT GCA GGG TGC CTG GCA CAG	*	*	*	*	*
L L Q N M Q S Q Q V P S I P Y A G C L A Q					
310	320	330	340	350	360
ATA TAC TTC TTT CTG TTT TTT GGA GAC CTT GGA AAC TTC CTG CTT CTG GCC ATG GCC TAT	*	*	*	*	*
I Y F F L F F G D L G N F L L V A M A Y					
370	380	390	400	410	420
GAC CGC TAT CTG GCC ATC TGC TGC TCC CTT CAT TAC ATG AGC ATC AGC CCC AAG CTC	*	*	*	*	*
D R Y V A I C F P L H Y M S I M S P K L					
430	440	450	460	470	480
TGT CTG AGT CTG CTG CTG TCC TGC TGC CTG ACT ACC TTC CAT GCC ATG CTG CAC ACC	*	*	*	*	*
C V S L V V L S W V L T T F H A M L H T					
490	500	510	520	530	540
CTG CTC ATG GCC AGA TTG TCA TTC TGT GAG GAC AGT GTG ATC CCT CAC TAT TTC TGT GAT	*	*	*	*	*
L L M A R L S F C E D S V I P H Y F C D					
550	560	570	580	590	600
ATG TCT ACT CTG CTG AAA GTG GCT TGT TCT CAC ACC CAT GAT AAT GAA TTA GCA ATA TTT	*	*	*	*	*
M S T L L K V A C S D T H D N E L A I F					

Figure 16C

610	620	630	640	650	660
* ATC TTA GGC CCT ATA GTT GTA CTA CCT TTC GTT CTC ATC ATT GTT TCT TAT GCA AGA	* I L G G P I V V L V L P F L L I I V S Y A R	* 640	* 650	* 660	* 670
670	680	690	700	710	720
* ATT GTT TCC ATC TTC AAG GTC CCT TCT TCT CAA AGC ATC CAT AAA CCC TTC TCC ACC	* I V S S I F K V V P S S Q S I H K A F S T	* 690	* 700	* 710	* 720
730	740	750	760	770	780
* TGT GGC TCC CAC CTG TCT GTG CTG TCA CTG TTC TAT GGG ACA GTC ATT GGT CTC TAC TTA	* C G S H L S V V V S L F Y G T V I G L Y L	* 750	* 760	* 770	* 780
790	800	810	820	830	840
* TGT CCT TCA GCT AAT AAC TCC ACT GTG AAG GAG ACT GTC ATG TCT TTG ATG TAC ACA ATG	* PRONUC/TRA OPTION	* 810	* 820	* 830	* 840
C	P	S	A	N	N
S	A	N	S	T	V
K	E	T	V	M	S
L	M	Y	T	M	T
M					

Figure 16D

850	860	870	880	890	900
* GTG ACA CCC ATG CTG AAC CCC TTC ATC TAC AGC CTA AGA AAC AGA GAC ATA AAA GAT GCA	* V T P M L N P F I Y S L R N R D I K D A				*
910	920	930	940		
* TTA GAA AAA ATA ATG TGC AAA AAG CAA ATT CCC TCC TTT CTA TGA	* L E K I M C K K Q I P S F L -				

Translation begun with base no. 200

Translated to base no. 1144

Sequence printed from base no. 200 to base no. 1144

Sequence numbered beginning with base no. 200

Figure 17A

Translated sequence of I14T.D1S

10	20	30	40	50	60
* ATG ACT GGA AAT AAC CAA ACT TTG ATC TTC GAG TTC CTC CTC CTG GGT CTG CCC ATC CCA	* M T G N N Q T L I L E F L L L G L P I P	* 60			
70	80	90	100	110	120
* TCA GAG TAT CAT CTC CTG TTC TAT GCC CTG TTC CTG GCC ATG ATG TAC CTC ACC ATC ATC CTG	* S E Y H L L F Y A L F L A M Y L T I I L				
130	140	150	160	170	180
* GGA AAC CTG CTA ATC ATT CTC CTT GTT CGA CTG GAC TCT CAT CTC CAC ATG CCC ATG TAC	* G N L L I I V L V R L D S H L L H M P M Y				
190	200	210	220	230	240
* TTG TTT CTC AGC AAC TTG TCC TTC TCT GAC CTC TGC TTT TCC TCT GTC ACA ATG CCC AAA	* L F L S N L S F S D L C F S S V T M P K				
250	260	270	280	290	300
* TTG CTT CAG AAC ATG CAG AGC CAA GTA CCA TCT ATA TCC TAT ACA GCC TGC CTG ACA CAG	* L L Q N M Q S Q V P S I S Y T G C L T Q				

Figure 17B

310	320	330	340	350	360
* CTG TAC TTC TTT ATG GTT TTT GGA GAT ATG GAG AGC TTC CTT CTT GTG CTC ATG GCC TAT L Y F F M V F F G D M E S F L L L V V M A Y	* 370	* 380	* 390	* 400	* 410
GAC CGC TAT CTG GCC ATT TGC TTT CCT TTG CGT TAC ACC ACC ATC ATG AGC ACC AAG TTC D R Y V A I C F P L R Y T T I M S T K F	* 430	* 440	* 450	* 460	* 470
TGT GCT TCA CTA CTG CTA CTT CTG TGG ATG CTG ACG ATG ACC CAT GCC CTG CTG CAT ACC C A S L V L L L L W M L T M T H A L L H T	* 490	* 500	* 510	* 520	* 530
CTA CTC ATT GCT AGA TTG TCT TTT TGT GAG AAG AAT CTG ATT CTT CAC TTT TTC TGT GAC L L I A R L S F C E K N V I L L H F F C D	* 550	* 560	* 570	* 580	* 590
ATT TCT GCT CTT CTG AAG TTG TCC TGC TCA GAC ATT TAT GTT AAT GAG CTG ATG ATA TAT I S A L L K L S C S D I Y V N E L M I Y	610	620	630	640	650
					660

Figure 17C

ATC	TTC	GGT	GGA	CTC	ATC	ATT	ATT	ATC	CCA	TTC	CTA	TTA	ATT	GTT	ATG	TCC	TAT	GTT	AGA	*
I	L	G	G	L	I	I	I	I	P	F	L	L	I	V	M	S	Y	V	R	*
670						680			690			700				710			720	
*						*			*			*				*			*	
ATT	TTC	TTC	TCC	ATT	TTG	AAG	TTT	CCA	TCT	ATT	CAG	GAC	ATC	TAC	AAG	GTA	TTC	TCA	ACC	*
I	F	F	S	I	L	K	F	P	S	I	Q	D	I	Y	K	V	F	S	T	
730						740			750			760				770			780	
*						*			*			*				*			*	
TGT	GGT	TCC	CAT	CTG	TCT	CTG	GTG	ACC	TTG	TTT	TAT	GGG	ACA	ATT	TTT	GGT	ATC	TAC	TTA	*
C	G	S	H	L	S	V	V	T	L	F	Y	G	T	I	F	G	I	Y	L	
790						800			810			820				830			840	
*						*			*			*				*			*	
TGT	CCA	TCA	GGT	AAT	AAT	TCT	ACT	GTG	AAG	GAG	ATT	GCC	ATG	GCT	ATG	ATG	TAC	ACA	CTG	*
PRONUC/TRA	OPTION																			
C	P	S	G	N	N	S	T	V	K	E	I	A	M	A	M	M	Y	T	V	
850						860			870			880				890			900	
*						*			*			*				*			*	
GTG	ACT	CCC	ATG	CTG	AAT	CCC	TTT	ATC	TAC	AGC	CTG	AGG	AAC	AGA	GAC	ATG	AAA	AGG	GCC	*
V	T	P	M	L	N	P	F	I	Y	S	L	R	N	R	D	M	K	R	A	

Figure 17D

910	920	930	9
★	★	★	
CTA ATA AGA GTT ATC TGC ACT AAG AAA ATC TCT CTG TAA			
L I R V I C T K K I S L -			

Translation begun with base no. 64

Translated to base no.1002

Sequence printed from base no. 64 to base no.1002

Sequence numbered beginning with base no. 64

Figure 18A Translated sequence of 115T.D1S

10 * 20 * 30 * 40 * 50 * 60 *
 ATG ACA GAA GAG AAC CAA ACT GTG ATC TCC CAG TTC CTT CTC CTT TTC CTG CCC ATC CCC
 M T E E N Q T V I S Q F L L L F L P I P

 70 * 80 * 90 * 100 * 110 * 120 *
 TCA GAG CAC CAG CAC GTG TTC TAC GCC CTG TTC CTG TCC ATG TAC CTC ACC ACT GTC CTG
 S E H Q H V F Y A L F L S M Y L T T V L

 130 * 140 * 150 * 160 * 170 * 180 *
 GGG AAC CTC ATC ATC ATC CTC ATT CAC CTG GAG TCC CAT CTC CAC ACA CCC ATG TAC
 G N L I I I L I H L D S H L L H T P M Y

 190 * 200 * 210 * 220 * 230 * 240 *
 TTG TTT CTC AGC AAC TTG TCC TTC TCT GAT CTC TGC TTT TCC TCT GTT ACG ATG CCC AAG
 L F L S N L S F S D L C F S S V T M P K

 250 * 260 * 270 * 280 * 290 * 300 *
 TTG TTG CAG AAC ATG CAG AGC CAA GTT CCA TCC ATC CCC TTT GCA GCC TGC CTG ACA CAA

Figure 18B

310	320	330	340	350	360
* TTA TAC TTT TAC CTG TAT TTT GCA GAC CTT GAG AGC TTC CTG CTT GTG GCC ATG GCC TAT	* L Y F Y L Y F A D L E S F L L V A M A Y	* 370	380	390	400
* GAC CGC TAT GTG GCC ATC TGC TTC CCC CTT CAT TAC ATG AGC ATC ATG AGC CCC AAG CTC	* D R Y V A I C F P L H Y M S I M S P K L	* 430	440	450	460
* TGT GTG AGT CTG GTG CTG TCC TGG CTG CTG ACC ACC TTC CAT GCC ATG CTG CAC ACC	* C V S L V V L S W V L T T F H A M L H T	* 490	500	510	520
* CTG CTC ATG GCC AGA TTG TCA TTC TGT GCG GAC AAT ATG ATC CCC CAC TTT TTC TGT GAT	* L L M A R L L S F C A D N M I P H F C D	* 550	560	570	580
* ATA TCT CCT TTA TTG AAA CTG TCC TGC TCT GAC ACC CAT CTT AAT GAG TTG GTG ATA TTT	* I S P L L K L S C S D T H V N E L V I F	610	620	630	640
				650	660

Figure 18C

GTC	ATG	GGA	GGG	CTT	GTT	ATT	GTC	ATT	CCA	TTT	CTG	CTC	ATC	ATT	GTA	TCT	TAT	GCA	CGA	*
V	M	G	G	L	V	I	V	I	P	F	V	L	I	I	V	S	Y	A	R	*
670					680				690				700			710			720	
GTT	GTC	GGC	TCC	ATT	CTT	AAA	GTC	CCT	TCT	GTC	CGA	GGC	ATC	CAC	AAG	ATC	TTC	TCC	ACC	*
V	V	A	S	I	L	K	V	P	S	V	R	G	I	H	K	I	F	S	T	*
730					740				750				760			770			780	
TGC	GGC	TCC	CAT	CTG	TCT	CTG	CTG	TCA	CTG	TTC	TAT	GGG	ACA	ATC	ATT	GGT	CTC	TAC	TTA	*
C	G	S	H	L	S	V	V	S	L	F	Y	G	T	I	I	G	L	Y	L	*
790					800				810				820			830			840	
TGT	CCG	TCA	GCT	AAT	AAC	TCT	ACT	GTG	AAG	GAG	ACT	GTG	ATG	GCC	ATG	ATG	TAC	ACA	GTC	*
PRONUC/TRA OPTION																				
C	P	S	A	N	N	S	T	V	K	E	T	V	M	A	M	Y	T	V		
850					860				870				880			890			900	
GTG	ACC	CCC	ATG	CTG	AAC	CCG	TTC	ATC	TAC	AGC	CTG	AGG	AAC	AGA	GAC	ATG	AAA	GAG	GCA	*
V	T	P	M	L	N	P	F	I	Y	S	L	R	N	R	D	M	K	E	A	*

	910		920		930		940
	*		*		*		*
CTC ATA AGA GTC CTT TGT AAA AAG AAA ATT ACC TTC TGT CTA TGA							
L I R V L C K K K I T F C L -							

Translation begun with base no. 8
Translated to base no. 952
Sequence printed from base no. 8 to base no. 952
Sequence numbered beginning with base no. 8

Translated Sequence of H5.D1S

10					20			
ATC	TGT	TTT	GTG	TCT	ACC	ACT	GTC	CCA
I	C	F	V	S	T	T	V	P
70					80			
*					*			
GTC	ATC	ACC	TAT	GCA	GAC	TGC	ATC	ACC
V	I	T	Y	A	D	C	I	T
*					*			
GAC	AGC	TTA	CTC	CTG	ACT	GTG	ATG	GCC
D	S	L	L	L	T	V	M	A
190					200			
*					*			
CAC	TAC	ACA	GTC	ATT	ATG	AGC	TCC	TGG
H	Y	T	V	I	M	S	S	W
250					260			
*					*			
GTG	AGC	ATC	CTA	TAT	TCT	CTG	TTA	CAA
V	S	I	L	Y	S	L	L	Q

30			40			50			60	
*			*			*			*	
AAG	CAG	CTG	GTG	AAC	ATC	CAG	ACA	CAG	AGC	AGA
K	Q	L	V	N	I	Q	T	Q	S	R
90			100			110			120	
*										
CAG	ATG	TGC	TTT	TTT	ATA	CTC	TTT	GTA	GTG	TTG
Q	M	C	F	F	I	L	F	V	V	L
			160			170			180	
*			*			*			*	
TAT	GAC	CGG	TTT	GTG	GCC	ATC	TGT	CAC	CCC	CTG
Y	D	R	F	V	A	I	C	H	P	L
210			220			230			240	
*			*			*			*	
CTC	TGT	GGA	CTG	CTG	GTT	CTG	GTG	TCC	TTG	ATC
L	C	G	L	L	V	L	V	S	W	I
270			280			290			300	
*			*			*			*	
AGC	ATA	ATG	GCA	TTG	CAG	CTG	TCC	TTC	TGT	ACA
S	I	M	A	L	Q	L	S	F	C	T

		310			320			330
		*			*			*
GAA	CTG	AAA	ATC	CCT	CAA	TTT	TTC	TGT
E	L	K	I	P	Q	F	F	C
		370			380			390
		*			*			*
GAC	ACT	TTT	ATT	AAT	GAC	ATG	ATG	ATG
D	T	F	I	N	D	M	M	M
		430			440			450
		*						*
CTC	GCT	GGA	ATA	TTT	TAC	T	TAC	TTT
L	A	G	I	F	Y	X	Y	F
		490			500			510
		*			*			*
GCT	CAG	GGG	ATG	AAT	AAA	GCA	CTT	TCC
A	Q	G	M	N	K	A	L	S
		550			560			570
					*			*
TTT	TAT	TGT	ACA	GGC	GTA	GGT	GTG	TAC
F	Y	C	T	G	V	G	V	Y
		610			620			630
		*			*			*
AAT	GCT	GCA	GCC	TCG	GTG	ATG	TAC	ACT
N	A	A	A	S	V	M	Y	T

340					350					360
*					*					*
CTT	AAT	CAG	GTC	ATC	CAC	CTT	GCC	TGT	TCC	
L	N	Q	V	I	H	L	A	C	S	
400					410					420
*					*					*
TTT	ACA	AGT	GTG	CTG	CTG	GGT	GGG	GGA	TGC	
F	T	S	V	L	L	G	G	G	C	
460					470					480
*					*					*
ATA	CTT	TGT	TGC	ATA	TGT	TCG	ATC	TCA	TCA	
I	L	C	C	I	C	S	I	S	S	
520					530					540
*					*					*
TGT	GCA	TCT	CAC	CTC	TCA	GTT	GTC	TCC	TTA	
C	A	S	H	L	S	V	V	S	L	
580					590					600
*					*					*
AGT	TCT	GCT	GCA	ACC	CAT	AAC	TCA	CTC	TCA	
S	S	A	A	T	H	N	S	L	S	
640										
*										
GTC	ACC	TCC	ATG	CTG						
V	T	S	M	L						

Figure 20A

CATCTGCTTTACTTCTCTAGCATCCCAAGATCTAGTGAATATACAGACGAAGACAA
 1 - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + 60
 I C F T S A S I P K M L V N I Q T K N K -
 GGTGATCACCTATGAAGGCTGCATCTCCCAAGTATACTTTTCATACACTCTTGGAGTTTG
 61 - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + 120
 V I T Y E G C I S Q V Y F S Y S L E F W -
 GACAACTTTCTCTCGACTGTGATGGCCTATGACCGATATGTGCCCATCTGTACCCATC
 121 - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + 180
 T T F F S T V M A Y D R Y V A I C H P S -
 TXACTACACAGGTCATCATGAACCCXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXX
 181 - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + 240
 ? Y T G H H E P ?

Figure 20C

541	TTCTACACTTTTGGTGCTACCTTAGTCTCTTCTTTACCCAAACTCACA	CTCACTGC
	S T L L G V Y L S S F T Q N S H S T A	-
601	ACGGCCAICTGTTATGTACAGTGTGTCACCCCATGTG	
	R A S V M Y S V V T P M L	-

1 ACCTCCACCACCATCCCAAGATGCTGGTAAATATACACCCAGACCAATACTATCACC
 T S T T I P K M L V N I H T Q S N T I T 60
 61 TATGAAGACTGTATTCCAGATGTTTGACTCTTGCTTTTGGAGAACTGGACAACCTTT
 Y E D C I S Q M F V L L V F C E L D N F 120
 121 CTCCTGGCTGTGATGGCCTATGATCGATATGTGGCTATCTGTACCCACTGTATTACACA
 L L A V M A Y D R Y V A I C H P L Y Y T 180
 181 GTCATTGTGAACCAACCGACTCTGTATCCTGCTGCTTCTGTCTGCTGGTTGTCAGCATTT
 V I V N H R L C I L L L L L S W V V S I 240
 241 TTACATGCCCTTCTTACAGAGCTTAATTGTACTACAGTTCACCTTCTGTGGAGATGTGAAA
 L H A F L Q S L I V L Q L T F C G D V K 300

Figure 21B

```

301 ATCCCTCACTTCTTCTGTAGCTCAATCAGCTGTGCCAAGTCACATGTTCAGACAACCTT
    I P H P F C E L N Q L S Q L T C S D N F - +360
361 CCAAGTCACCTCACAAATGCATCTGTACCTGTATATTTGCCAGCTATTTCCCTCAGTCGT
    P S H L T M H L V P V I F A A I S L S G - +420
421 ATCCTTTACTCTTATTTC AAGATAGTGCTCTCCATACGTTCTATGTCCTCAGTTCAAGCG
    I L Y S Y F K I V S S I R S M S S V Q G - +480
481 AAGTACAAGGCATTTTCTACATGTGCCCTCTCACCTTTCCATTGTCCTCTTATTATAGT
    K Y K A F S T C A S H L S I V S : P Y S - +540
541 ACAGGCCTCGGGGTAGTCAGTTCTGTGTGATCCGAAGCTCACACTCTCTGCAAGT
    T G L G V Y V S S A V I R S S S S A S - +600
601 GCTTCGGTCATGTACTGTGTCACCCCATGTTG
    A S V M Y T V V T P M L - 636

```

Figure 22A

1 CATAGCCTATTCATCTTCTGTCACACCAATATGCTGTCAACTTCCTTATAAGCAAAA
 I G Y S S V T P N M L V N F L I K Q N - 60
 61 TACCATCTCATACCTTGGATGTTCTATACAGTTGGCTCAGCTGCTTGTTCACGCTCT
 T I S Y L G C S I Q P G S A A L F G G L - 120
 121 TGAATGCTTCTGCTGCCATGGCGTATGATCGTTTGTAGCAATCTGCCAACCCT
 E C F L L A A M A Y D R F V A I C N P L - 180
 181 GCTTATTCACGAAATGTCCACACAGTCTGTGTCAGTGGTGTGGCATCTTATAT
 L Y S T K M S T Q V C V Q L V V G S Y I - 240
 241 AGGGGATTCTTAAGCCCTCCCTCTTTTACCCCTTCTCTTTTCTTCTGCTCTGCTG
 G G F L N A S S P T L S F F S L S P C G - 300

ACCAAATAGAAATCAATCAGCTTTTACTGTGATTTTGCTCCGTTAGTAGAAGCTTTCTTGCTC
 P N R I N H F Y C D P A P L V E L S C S - +360
 TGATGTCAGTGTTCCTGATGCTGTACCTCATTTTCTGCTGCCCTCAGTTACTATGCTTCAC
 D V S V P D A V T S F S A A S V T M L T - +420
 AGTGTATTATCAGCCATCTCCTATACCTATATCCTCATCACCATCCTGAAGATGCGTTC
 V F I I A I S Y T Y I L I T I L K M R S - +480
 CACTGAGGGTGCACAGAAAGCATTTCTCTACCTGCACCTTCCACCCTCAGTCAGTCACCTCT
 T E G R Q K A F S T C T S H L T A V T L - +540
 GTGCTATGGAACCATCAGATTCATCTATGTGATGCCCAAGTCCAGCTACTCCACAGACCA
 C Y C T I T F I Y V M P K S S Y S T D Q - +600
 GAACAAGTGTGCTGCTGTTTATATGGTGGTGATCCCATGTTG
 N K V V S V F Y M V V I P M L - 646

Figure 23A

1 CATCTGCAAGCCCTGCACCTACACCAACCATCATGAATAACCGAGTGTCACAGTTCTAGT
I C K P L H Y T T I M N N R V C T V L V - 60
61 CCTCTCCTGTTGGTTGGCTGTCCTGTTGATCATTCCTCCACCTCTTGGTCATGOCCTCCA
L S C W F A G L L I I L P P L G H G L Q - 120
121 GCTCGAGTCTGTGACTCCAATGTGATGATCATTTTGGCTGGATGCTCTCTCCAATTCT
L E P C D S N V I D H F G C D A S P I L - 180
181 GCAGATAACCTGCTCAGACACCGTATTTATAGAGAAATTGCTTGGCTTTGCCATACT
Q I T C S D T V F I E K I V L A F A I L - 240
241 GACACTCATCTACTCTGGTATGTGTGTTCTCTCTCTACACATACATCATCAAGACCAT
- - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + - - - - - + 300

Figure 23B

```

301 TTTAAAGTTTCCTTCTGCTCAACAAGAAAAGGCCCTTTTCTACATGTTCTTCCACAT
    L K P P S A Q Q R K K A P S T C S S H M -
    +-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
361 GATTGTGGTTTCCATCACCTATGGGAGCTGTATTTCATCTACATCAAAACCTTCAGCGAA
    I V V S I T Y G S C I P I Y I K P S A K -
    +-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
421 GGAAGGGTAGCCCATCAATAAGGTTGTATCTGTGCTCACAAACATCAGTCGCCCTTTGCT
    E G V A I N K V V S V L T T S V A P L L -
    +-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+

```

C
481 - 481
G

CATCTGCCACCGCTCCACTACTCTCTTCTCATGTAGTCCTGACAACCTGTGCTGCTCTGGT
1 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
I C H P L H Y S L L M S P D N C A A L V - +60

AACAGTCTCCTGGGTGACAGCGGTGGGCACGGGCTTCCTGCCTTCCTCCTGATTCTAA
61 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
T V S W V T G V G T G F L P S L L I S K - +120

GTTGGACTTCTGTGGGCCAACCGCATCAACCATTCTTCTGTGACCTCCCTCCATTAAAT
121 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
L D F C G P N R I N H F P C D L P P L I - +180

CCAGCTGTCTGCTCCAGCGTCTTGTGTGACAGAAATGGCCATCTTTGTCTCTGTCCTCC
181 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
Q L S C S S V F V T E M A I F V L S I A - +240

Figure 25A

OTCTGCTTCTCCTCCACCACACTGTGCCCAAGGTACTGGCTAACCCACATACTCAGTAGTCA
-----+-----+-----+-----+-----+60

V C F S S T T V P K V L A N H I L S S Q -
GGCCATTTCCTCTGGTGCTCTAACTCAGCTGTATTTCTCTGTGCTGCTGTGAATAT
-----+-----+-----+-----+-----+120

A I S F S G C L T Q L Y F L C V S V N M -
GGACAATTTCCTGCTGCTGATGGCCTATGACAGATTGTGCCCATATGCCACCCTTT
-----+-----+-----+-----+-----+180

D N F L L A V M A Y D R P V A I C H P L -
GTACTACACAAGAATGACCCACCAGCTCTGTCTGTCTGGTCTGGATCAXXXX
-----+-----+-----+-----+-----+240

Y X T T K M T H Q L C V L L V S G S ? ? -
XXX
-----+-----+-----+-----+-----+300

? -

Figure 25B

```

301  XXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXX+360
      ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? -
361  XXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXX+420
      ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? -
      ATTGTCGATCCTCATCTTACATCTACCATCAGTCCTCAGAGTCTCATC+480
421  P V C I L I S Y I Y I T N A V L R V S S -
      CTTTAGGGAGGATGGAAAGCCTTCTCCACCCTGGCTCACACCTGGCTGTGCTGCCT+540
481  P R G G W K A F S T C G S H L A V V C L

```


301
XXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXX
-----+-----+-----+-----+-----+
? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? - +360
- - - - -

361
XXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXX
-----+-----+-----+-----+-----+
? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? V I M V T P - +420
- - - - -

421
ATTGCTGCATCCTCATCTCTTACATCTACATCACCAATGCAGTCCTCAGAGTCTCATC
-----+-----+-----+-----+-----+
P V C I L I S Y I Y I T N A V L R V S S - +480
- - - - -

481
CTTAGGGAGGATOGAAAGCCTTCTCCACCTGTGGCTCACACCTGGCTGTGGTCTGCCCT
-----+-----+-----+-----+-----+
F R G G W K A F S T C G S H L A V V C L - +540
- - - - -

541
CTTCTATGGCACCATCATGCTGTGTATTTCATCCCTGTATCTTCCCATTCTCATCTGAGAA
-----+-----+-----+-----+-----+
F Y C T I I A V Y P N P V S S H S S E K - +600
- - - - -

601
GGACACTGCAGCAACTGTGCTATACACAGTGGTGACTCCCATGTC
-----+-----+-----+-----+-----+
D T A A T V L Y T V V T P M L - 646
- - - - -

Figure 27A

J15

```

1  TATCTOCAACCCCTCTCGCGCTACCCAGTCTCATGAGCCGCCGGTGTCCTCCTCATGCT
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   I C N P L R Y P V L M S O R V C L L M V 60

61  CGTCGCCCTCCTGTTGGAGGATCCCTCAAGCCCTCCATTTCAGACTTCTCTGACCCCTTCA
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   V A S W L G G S L N A S I Q T S L T L Q - 120

121 GTTCCCTACTGTGGATCACGGAAGATCTCCCACTTCTTCGTGAGGTGCCCTCGCTGCT
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   F P Y C G S R R I S H F P C E V P S L L - 180

181 GAXXXTGCCCTGTGCAGACACTGAAGCCTATGAGCAGGTACTATTGTGACAGGCGTGCT
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   ? ? A C A D T E A Y E Q V L F V T G V V - 240

```

Figure 27B

241 GGTCTCTCTGGTCCCATTTACATTACTGCTCTTATGCCCTCATCTGGCTGCTGT
 -----+-----+-----+-----+-----+
 V L L V P I T P I T A S Y A L I L A A V

 301 GCTCCGAATGCACCTCTCCGAGGGGAGTCAGAGGCCCTAGCCACATGCTCTCTCACCT
 -----+-----+-----+-----+-----+-----+360
 L R M H S A E G S Q K A L A T C S S H L -

 361 GACAGTCGTCAATCTCTTCTATGGGCCCCCTGTCTACACCTACATGTTACCTGCTTCCTA
 -----+-----+-----+-----+-----+-----+420
 T V V N L P Y C P L V Y T Y M L P A S Y -

 421 TCACTCACCAGGCCAAGACGACATAGTATCCGTCCTTTACACCGTCTCACACCCATGCT
 -----+-----+-----+-----+-----+-----+480
 H S P C Q D D I V S V F Y T V L T P M L -

T
 481 - 481
 A

Figure 28A

1 C A T C T G T A G G C C T C T T C A C T A T C T A C C C T C A T G A C C C A G A C A C T O T G T G C C A A G A T T G C
 I C R P L H Y P T L M T Q T L C A K I A -
 60
 61 C A C T G G T T G C T G G T T G G A G G C T T G C C T G G C C A G T G G T A G A A T T C C T M G T G T C T C G
 T G C W L G G L A G P V V B I S L V S R -
 120
 121 T C T C C T T T T G T G G C C C A A T C A C A T T C A C A C A T C T T T G T G A T T T C C C A C C T G T G C T
 L L F C G P N H I Q H I P C D F P P V L -
 180
 181 G A G C T T G G C T T G T A C T G A T A C A T C A G T G A T G T C C T G G T A G A T T T A T A A A C C T C T G
 S L A C T D T S V N V L V D P I I N L C -
 240
 241 C A A G A T C C T G G C C A C C T T C C T G A T C C T G A G C T C T A C T T G C A G A T A T C C G C A C A G T
 K I L A T F L L I L S S Y L Q I I R T V -
 300

Figure 28B

181 GAGCTTGGCTTGTAAGTATACATCAGTGAATCTCTGCTAGATTATTATAACCTCTC
 S L A C T D T S V N V L V D P I I N L C - +240
 241 CAAGATCTGGCCACCTTCCTGCTGATCCTGAGCTCCTACTTGCAGATAATCCGCACAGT
 R I L A T F L L I L S S Y L Q I I R T V - +300
 301 GCTCAGATTCTTTCAGCTGCAGGCAAGAAGCAATCTCGACTTGTGCTCCCATCT
 L K I P S A A G K K A P S T C A S H L - +360
 361 CACTGTGGTTCATCTTCTATGGAGCATCTTTCATGTATGTCGCTGANGAGAC
 T V V L I F Y G S I L F M Y V R L K K S - +420
 421 TTAATCCCTTGACTACGACAGAGCCCTGGCAGTAGTCTACTCCGGTGTACCCCTTCTC
 Y S L D Y D R A L A V V Y S V V T P F L - +480

G
 481 - 481

J17

Figure 29A

1 AATCTOCACCCACTGCTTTATTCCACCAAAATGICACACAAGTCTGTATCCAGTTGGT
 I C N P L L Y S T K H S T Q V C I Q L V - 60
 61 TGCAGGATCTTATAGGGGTTTCTTAATACTTCCTCATCATGTTTACTTTTCTC
 A G S Y I G C P L N T C L I M F Y F F S - 120
 121 TTTTCTCTTCTGCGCCAAATATAGTTGATCATTTTCTGTGATTTCCTCCTTTXXT
 F L P C G P N I V D H F F C D F A P ? - 180
 181 GGAATTTCGTCTGTGATGTGAGTCTCTGTAGTTGTTATGTCATTTTCTGCTGGCTC
 E L S C S D V S V S V V V M S F S A C S - 240
 241 AGTTACTATGATCACAGTGTATTATCATAGCCATCTCCTATTCTTACATCCTCATCACCAT
 V T M I T V F I I A I S Y S Y I L I T I - 300

Figure 29B

CCTGAAGATGTCCTCACTGAGCGCGTCACAGGCTTTCTCCACATGTACCTCCACCT
 301 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+360
 L K M S S T E G R H X A F S T C T S H L -

 CACTGCAGTCACTCTACTATGGCACCATTACCTTCATTTATGTGATGCCCAAGTCCAC
 361 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+420
 T A V T L Y Y G T I T F I Y V M P K S T -

 ATACTCTACAGACCAGACAGGTGCTGTCTGTTTACATGGTGGTATCCCAATGTT
 421 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+480
 Y S T D Q N K V V S V F Y M V V I P M L -

G
 481 - 481

J19

Figure 30A

```

1  TATCTGCCACCCCTCTGAAGTACACAGTTATCATGAATCACTATTTTGTGTGATGCTOCT
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   I C H P L K Y T V I M N H Y P C V M L L - +60

61 GCTCTTCTCTGTTGTTAGCA::TGCACATCGGTGTTCCACATTTTAATGGTGTGAT
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   L P S V F V S I A H A L F H I L M V L I - +120

121 ACTGACTTTCAGCACAAAACGAAATCCCTCACTTTTCTGTGAGCTGGCTCATATCAT
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   L T F S T K T E I P H F F C E L A H I I - +180

181 CAAACTTACCCTGTTCCGATAATTTTATCAACTATCTGCTGATATACACAGAGCTGCTTT
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   K L T C S D N F I N Y L L I Y T E S V L - +240

241 ATTTTGTGTTTCATATTGTAGGATCATTTTGTCTTATATTACACTGTATCCTCAGT
   -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+
   F F G V H I V G I I I L S Y I Y T V S S V - +300

```

Figure 30B

TTAAGAAATGTCATTATTGGGAGGAATGTATAAGCCTTTTCACATGTGGATCTCATTT
L R M S L L G G M Y K A F S T C G S H L -
GTCGGTCTCTCTGTTTATATGGCACAGGCTTTTGGGTACACATAAGCTCTCCACTTACTG
S V V S V L W H R F W G T H K L S T Y -
ACTCTCCAAGGAAGACTGTAGTGGCTTCAGTGATGTACACTGTGGTTACTCAGATGCTG
L S K E D C S G F S D V H C G Y S D A -

1 AATCTGCTACCCACTGAGGTACCTTCTTCATCATGAGCTGGTGGTGTCACAGCCTGTC
I C Y P L R Y L L I M S W Y V C T A L S - 60
61 CGTGGCAATCTGGGTACATAGGCTTTTGTGCCCTCCGTTATACCTCTCTCTCAGCATCCT
V A I W V I G F C A S V I P L C F T I L - 120
121 CCCACTCTGTGTCCTTACGTGCTGATTATCTTTTCTGCGAGCTGCCCATCTTCTGCA
P L C G P Y V V D Y L F C E L P I L L H - 180
181 CCTGTTCTGCACAGATACATCTCTGCTGGAGAXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXX
L F C T D T S L L E ? ? ? ? ? ? ? ? ? ? - 240
241 XXXXXXXXXXXXXCCCTTCCTCTGATAGTTCTCTCTTCTACCTTGGCATCTCTGGCTGCTG
? ? ? ? P F L L I V L S Y L R I L V A V - 300

Figure 31B

301 ATAAGAATAGACTCAGCTGAGGCGAGAAAAGCCCTTTCAACTTGCTTCACACTTG
 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+360
 I R I D S A E O R K K A F S T C A S H L

 361 GCTGTGCTGACCATCTACTATGGAACAGGCTGATCAGTACTTCAGGCCCAAGTCCCTT
 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+420
 A V V T I Y Y C T G L I R Y L R P K S L

 421 TATTCGCTGAGGAGACAGACTGATCTCTGTGTTCTATGCAGTCATTGGCCCTGCAC TG
 -----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+480
 Y S A E G D R L I S V F Y A V I G P A L

Figur 32

